



Международный конгресс

«VIII Съезд Вавиловского общества генетиков и селекционеров»

№	Фамилия	Имя	Название тезисов	Организация	Секция
4	Salman	Ali	The Interplay of 3' UTR Length and Stop Codon Identity in Translation Dynamics	Engelhardt Institute of Molecular Biology, Moscow, Russia	Симпозиум 1. Репликация, транскрипция, трансляция
5	Бизяев	Никита	Влияние длины поли(А)-хвоста мРНК на инициацию и терминацию эукариотической трансляции	Институт молекулярной биологии им. В.А. Энгельгардта РАН, Москва	Симпозиум 1. Репликация, транскрипция, трансляция
6	Бирюков	Николай	Содержание мРНК генов, кодирующих метаболические и цитоскелетные белки в яичниках мыши после 96- часового моделирования эффектов невесомости	ГНЦ РФ Институт медико-биологических проблем РАН, Москва	Симпозиум 1. Репликация, транскрипция, трансляция
7	Болдинова	Елизавета	Клинический вариант праймазы-полимеразы PrimPol человека V102A с нарушенной каталитической активностью	Институт биологии гена РАН, Москва	Симпозиум 1. Репликация, транскрипция, трансляция
8	Болотина	Анна	Использование метода VIGS для создания эпигеномных изменений на примере <i>N. benthamiana</i>	Московский физико-технический институт, Долгопрудный	Симпозиум 1. Репликация, транскрипция, трансляция
9	Валина	Анна	Амилоид FXR1 —компонент нейрональных стресс-гранул	Санкт-Петербургский Государственный Университет, Санкт-Петербург, Россия	Симпозиум 1. Репликация, транскрипция, трансляция
10	Данилов	Лаврентий	Анализ влияния мутаций в генах <i>SUP35</i> и <i>SUP45</i> на количественное соотношение белков в клетках дрожжей <i>Saccharomyces cerevisiae</i>	Санкт-Петербургский государственный университет, кафедра генетики и биотехнологии, Санкт-Петербург, Россия	Симпозиум 1. Репликация, транскрипция, трансляция
11	Еникеева	Рената	Анализ эффекта генов, регулирующих механизмы индукции воспаления, на базовые когнитивные функции	Институт биохимии и генетики ФГБУ УФИЦ РАН, УФА	Симпозиум 1. Репликация, транскрипция, трансляция
12	Землянко	Ольга	Изучение жизнеспособности дрожжей у мутантов по генам <i>SUP45</i> и <i>SUP35</i>	СПбГУ кафедра генетики и биотехнологии, СПбГУ лаборатория биологии амилоидов, Санкт-Петербург	Симпозиум 1. Репликация, транскрипция, трансляция
13	Кручинин	Александр	Возможный механизм 8- охoA-индуцированного мутагенеза	Институт биологии гена РАН, Москва	Симпозиум 1. Репликация, транскрипция, трансляция
14	Кузнецова	Александра	Кинетические особенности взаимодействия РНКазы H1 с модельными R-петлями различной структуры	Институт химической биологии и фундаментальной медицины СО РАН, 630090, Новосибирск, пр. Ак. Лаврентьева, 8	Симпозиум 1. Репликация, транскрипция, трансляция

15	Летягина	Анна	Разработка модели, способной предсказать уровень зрелой мРНК в культивируемых клетках млекопитающих на основе последовательности DSE терминатора транскрипции	Институт молекулярной и клеточной биологии СО РАН, Новосибирск	Симпозиум 1. Репликация, транскрипция, трансляция
16	Мавренкова	Ксения	Новый клеточный фактор <i>Nicotiana benthamiana</i> , содержащий ДНК- связывающий домен В3, подавляет развитие табомовирусной инфекции	Московский государственный университет имени М.В. Ломоносова, Москва	Симпозиум 1. Репликация, транскрипция, трансляция
17	Малеев	Максим	Получение мутантных белков семейства EIF4E <i>Solanum tuberosum</i> , несущих аминокислотные фосфомимические замены в положениях предсказанных сайтов фосфорилирования	Институт белка РАН	Симпозиум 1. Репликация, транскрипция, трансляция
18	Москаленко	Светлана	Анализ влияния мутаций в генах <i>SUP35</i> и <i>SUP45</i> на экспрессию генов	СПбГУ кафедра генетики и биотехнологии; СПб ФИОГен РАН им. Вавилова, Санкт- Петербург	Симпозиум 1. Репликация, транскрипция, трансляция
19	Погосян	Акоп	Изменения профилей метилирования CpG-сайтов генов ELOVL2, FHL2, PDE4C, CBLN4, ZNF423, ассоциированные с возрастом	Федеральное государственное бюджетное учреждение науки Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова Российской академии наук, Москва	Симпозиум 1. Репликация, транскрипция, трансляция
20	Позднякова-Филатова	Ирина	Регулятор LysR-семейства изгибает ДНК, некорректно позиционируя -10 и -35 боксы промотора	ФИЦ ПНЦБИ РАН, Пущино	Симпозиум 1. Репликация, транскрипция, трансляция
21	Рубель	Мария	Определение однонуклеотидных замен и числа триплетных повторов в гуанин-цитозин-богатых фрагментах генома с помощью многокомпонентных гибридизационных зондов	Университет ИТМО, Россия	Симпозиум 1. Репликация, транскрипция, трансляция
22	Рыжкова	Варвара	Изучение функций N-конца белка MSL1 в процессе работы комплекса дозовой компенсации у <i>Drosophila melanogaster</i>	Институт биологии гена РАН, Москва, Россия	Симпозиум 1. Репликация, транскрипция, трансляция
23	Сафронова	Лариса	Цитогенетические механизмы мейоза при экспериментальной гибридизации представителей домовых мышей (р <i>MUS</i>)	Москва	Симпозиум 1. Репликация, транскрипция, трансляция
24	Соколов	Владимир	Новый архитектурный белок Mzfp1 участвует в организации гетерохроматиновых промоторов и инсуляторов дрозофилы	Институт биологии гена Российской академии наук, Москва	Симпозиум 1. Репликация, транскрипция, трансляция
25	Соколова	Олеся	Повышенная транскрипция теломерных повторов как фактор нестабильности генома	Институт биологии развития имени Н. К. Кольцова РАН, Москва, Россия	Симпозиум 1. Репликация, транскрипция, трансляция
26	Солдатова	Юлия	Неканоническая терминация транскрипции у <i>Drosophila melanogaster</i>	ФГБУН Институт биологии гена РАН, Москва	Симпозиум 1. Репликация, транскрипция, трансляция
27	Топчиева	Людмила	Экспрессия сплайсосомных форм длинной некодирующей РНК ANRIL при артериальной гипертензии	ИБ КарНЦ РАН	Симпозиум 1. Репликация, транскрипция, трансляция
28	Трефилов	Вадим	Участие малой некодирующей 6S-1 РНК в регуляции биосинтеза сурфактина в клетках <i>Bacillus subtilis</i>	Московский государственный университет имени М.В. Ломоносова, химический факультет, Москва, Россия	Симпозиум 1. Репликация, транскрипция, трансляция

29	Шилкин	Евгений	Эпигенетические модификации матричного С изменяют точность репаративных и транслезионных ДНК- полимераз человека	Институт биологии гена РАН, Москва	Симпозиум 1. Репликация, транскрипция, трансляция
30	Шкурат	Татьяна	Дифференциальная экспрессия некодирующих РНК в гранулезных клетках яичника человека	Южный федеральный университет, Ростов- на-Дону	Симпозиум 1. Репликация, транскрипция, трансляция
31	Штам	Татьяна	Растительный препарат айлантон снижает пролиферацию опухолевых клеток ингибируя биосинтез белка	ФГБУ «Петербургский Институт Ядерной Физики им. Б.П. Константинова Национального Исследовательского Центра «Курчатовский Институт», Гатчина	Симпозиум 1. Репликация, транскрипция, трансляция
32	Шувалов	Алексей	Влияние 5'-контекста стоп кодона на эффективность терминации трансляции у эукариот	Институт молекулярной биологии им. В.А. Энгельгардта Российской академии наук, Москва	Симпозиум 1. Репликация, транскрипция, трансляция
33	Haidara	Mohamed Kader	Genetic Mechanisms of Mosquito-Parasite Interactions: Insights from Chromosomal Rearrangements	Tomsk State University_Tomsk	Симпозиум 2. Экологическая генетика и генетическая токсикология
34	Аверьянова	Наталья	Чувствительность лимфоцитов периферической крови человека к генотоксическому действию хлорпирифоса <i>in vitro</i>	ФБУН «Федеральный научный центр гигиены имени Ф.Ф. Эрисмана» Роспотребнадзора, Мытищи	Симпозиум 2. Экологическая генетика и генетическая токсикология
35	Адоньева	Наталья	Влияние личиночного стресса и инфицирования <i>Wolbachia</i> на скорость развития и приспособленность <i>Drosophila melanogaster</i>	ФИЦ Институт цитологии и генетики СО РАН, г. Новосибирск	Симпозиум 2. Экологическая генетика и генетическая токсикология
36	Антосюк	Ольга	Генетическая активность экстрактов представителей рода <i>Monarda</i> на примере <i>Drosophila melanogaster</i>	Уральский федеральный университет имени первого Президента России Б.Н. Ельцина	Симпозиум 2. Экологическая генетика и генетическая токсикология
37	Баканова	Марина	Роль унаследованных вариантов генов ферментов репарации днк, биотрансформации ксенобактерий, системы антиоксидантной защиты, контроля клеточного цикла и апоптоза, трансмембранного рецептора семейства рецепторных тирозинкиназ ErbB в формировании риска антракосиликоза у рабочих угольных шахт Кузбасса	Федеральное государственное бюджетное научное учреждение «Федеральный исследовательский центр угля и углехимии Сибирского отделения Российской академии наук», Кемерово	Симпозиум 2. Экологическая генетика и генетическая токсикология
38	Бигалиев	Айтхаж	Ecological and genetic assessment of the consequences of the impact of anthropogenic pollution on the environment and public health	al-Farabi Kazakh National University	Симпозиум 2. Экологическая генетика и генетическая токсикология
39	Верещагина	Алла	Хронология клонального состава популяции черемухово-злаковой тли <i>Rhopalosiphum padi</i> (L.) в период эмиграции на злаки в Ленинградской области	Всероссийский научно-исследовательский институт защиты растений, Санкт-Петербург, Пушкин	Симпозиум 2. Экологическая генетика и генетическая токсикология
40	Гандрабур	Елена	Влияние высоковольтных линий электропередач на воспроизводство клонов двух видов злаковых тлей	Всероссийский научно-исследовательский институт защиты растений, Санкт-Петербург, Пушкин	Симпозиум 2. Экологическая генетика и генетическая токсикология

41	Горенская	Ольга	Оценка способности вируса SARS-CoV-2 индуцировать повреждения ДНК в лимфоцитах периферической крови у пациентов с COVID-19	ФБУН «Федеральный научный центр гигиены имени Ф.Ф. Эрисмана» Роспотребнадзора, г. Мытищи, Россия.	Симпозиум 2. Экологическая генетика и генетическая токсикология
42	Гурбанов	Руслан	Анализ генотоксичности «оксалиплатина» на люк-штаммах <i>E. coli</i>	ФГБОУ ВО "Чеченский государственный университет им. А. А. Кадырова", Грозный	Симпозиум 2. Экологическая генетика и генетическая токсикология
43	Илюшина	Наталия	Алгоритм оценки эквивалентности пестицидов по критерию «мутагенность»	ФБУН «Федеральный научный центр гигиены им. Ф.Ф. Эрисмана» Роспотребнадзора, г. Мытищи, Россия	Симпозиум 2. Экологическая генетика и генетическая токсикология
44	Исса	Шаза	Phytochemicals in the combat against SARS-CoV-2	Санкт-Петербургский Государственный Университет, Санкт-Петербург, Россия	Симпозиум 2. Экологическая генетика и генетическая токсикология
45	Карпова	Евгения	Изменения в метаболизме имаго <i>D. melanogaster</i> , перенесших стресс в личиночном возрасте	ФИЦ ИЦиГ СО РАН, Новосибирск, Россия	Симпозиум 2. Экологическая генетика и генетическая токсикология
46	Ковалева	Маргарита	Исследование генотоксической активности новых эфиров на основе циклоалкендикарбоновых кислот	Ярославский государственный университет им. П.Г.Демидова	Симпозиум 2. Экологическая генетика и генетическая токсикология
47	Курчатова	Мария	Применение метода ДНК- комет в эксперименте индуцированного мутагенеза	Саратовский государственный медицинский университет им В.И. Разумовского Минздрава РФ, Саратов	Симпозиум 2. Экологическая генетика и генетическая токсикология
48	Ларина	Анна	Ядрышковые характеристики буккальных эпителиоцитов и частота повреждений их митохондриальной ДНК – новые способы оценки загрязнения окружающей среды и генетического гомеостаза организма человека	Воронежский государственный университет, Воронеж	Симпозиум 2. Экологическая генетика и генетическая токсикология
49	Никитина	Татьяна	Сравнение генотоксического действия коммерческих образцов Понсо 4R и Тартразин в культуре лимфоцитов человека в условиях цитокинетического блока	ФГБУ «ЦСП» ФМБА России, Москва	Симпозиум 2. Экологическая генетика и генетическая токсикология
50	Панькина	Кира	Влияние внеклеточных ДНК на фенотипические особенности <i>Xanthomonas campestris</i> M28	Национальный исследовательский Мордовский государственный университет им. Н.П. Огарёва, г. Саранск	Симпозиум 2. Экологическая генетика и генетическая токсикология
51	Румянцева	Марина	Молекулярно-генетические, экологические и эволюционные аспекты формирования акцессорной части пангенома клубеньковых бактерий	ФГБНУ ВНИИСХМ	Симпозиум 2. Экологическая генетика и генетическая токсикология
52	Смирнова	Светлана	Исследование протекторного эффекта антиоксидантов на ДНК- повреждающее действие диоксида в клетках <i>Escherichia coli</i>	Федеральное государственное бюджетное учреждение науки Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова РАН, Москва	Симпозиум 2. Экологическая генетика и генетическая токсикология

53	Сокорнова	Софья	Особенности сообщества арбускулярных микоризных грибов, ассоциированных с растениями трибы Heliantheae	Всероссийский научно-исследовательский институт защиты растений, Санкт-Петербург	Симпозиум 2. Экологическая генетика и генетическая токсикология
54	Барабанова	Лариса	Опыт преподавания курса «Экологическая генетика» на кафедре генетики и биотехнологии Санкт-Петербургского государственного университета	Санкт-Петербургский государственный университет, Санкт-Петербург	Симпозиум 2. Экологическая генетика и генетическая токсикология
55	Chen	Dijun	Dissecting the genetic regulatory basis of trait development in rice	Nanjing University	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология
56	Александрович	Валерия	Вариабельность структурной организации митохондриального генома сои (<i>Glycine max</i>)	ГНУ «Институт генетики и цитологии НАН Беларуси», Минск, Беларусь	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология
57	Апрелкова	Анастасия	Антифаговые системы защиты клубеньковых бактерий <i>Sinorhizobium</i> spp.	ФГБНУ ВНИИСХМ, Санкт-Петербург	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология
58	Бочарникова	Мария	Разработка вычислительного конвейера для поиска и функциональной аннотации генов семейств мультидоменных белков в геномах растений	Курчатовский геномный центр ИЦиГ СО РАН, Новосибирск	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология
59	Введенский	Андрей	Делеции кластеров генов, участвующих в образовании биопленок, среди внутрибольничных изолятов <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	Научно-исследовательский институт системной биологии и медицины Роспотребнадзора, Москва	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология
60	Вензель	Артур	Application of gene networks and AI methods to analyze metabolomic data of patients with post-operative delirium	Institute of Cytology and Genetics, SB RAS, Novosibirsk, Russia	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология
61	Галямина	Мария	Сравнительный анализ онкогенных свойств <i>Mycoplasma hominis</i> на модели хронической инфекции эукариотической клетки.	Федеральное государственное бюджетное учреждение «Федеральный научно-клинический центр физико-химической медицины имени академика Ю.М. Лопухина Федерального Медико-биологического Агентства», Москва	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология
62	Гурина	Алёна	<i>In silico</i> выявление перспективных для изучения R-генов среди примитивных культурных видов картофеля	ФГБНУ ФИЦ «Всероссийский институт генетических ресурсов растений имени Н.И. Вавилова» (ВИР)	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология
63	Данилова	Мария	Биоинформатический анализ генов и белков с эндонуклеазной активностью <i>Xanthomonas campestris</i>	Национальный исследовательский Мордовский государственный университет им. Н.П. Огарёва, г. Саранск	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология
64	Ермолаев	Алексей	Разработка молекулярных маркеров на основе результатов GWAS для селекции твердой пшеницы	ФГБНУ «Всероссийский научно-исследовательский институт сельскохозяйственной биотехнологии» (ФГБНУ ВНИИСБ), Москва	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология

65	Долгих	Александра	Поиск мишеней и ко- регуляторов транскрипционного фактора IPD3/CYCLOPS гороха посевного <i>Pisum sativum</i> L.	ФГБНУ Всероссийский научно-исследовательский институт сельскохозяйственной микробиологии, Санкт-Петербург	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология
66	Землянская	Елена	Метаанализ профилей дифференциальной экспрессии генов: к вопросу о выборе данных	Федеральный исследовательский центр Институт цитологии и генетики Сибирского отделения Российской академии наук, Новосибирск	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология
67	Кривонос	Данил	Pike: инструмент для анализа «шумных» метагеномных прочтений	Научно-исследовательский институт системной биологии и медицины	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология
68	Кусакин	Алексей	Оценка направления отбора гена <i>gbcL</i> у некоторых представителей подсемейства Мятликовые (Pooidae)	Федеральный исследовательский центр Всероссийский институт генетических ресурсов растений имени Н.И. Вавилова, Санкт-Петербург	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология
69	Лазарева	Анастасия	Вариативность объема микоплазменной клетки как механизм адаптации к осмотическому стрессу	НИИ Системной Биологии и Медицины Роспотребнадзора, Москва	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология
70	Ляпина	Ирина	Изучение пептидного иммунного сигналинга растений на примере мха	Федеральное государственное бюджетное учреждение науки Институт биоорганической химии имени академиков М.М. Шемякина и Ю.А. Овчинникова РАН (ИБХ РАН), Москва	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология
71	Матюшкина	Дарья	Вариация клеточного объема – механизм ответа бактерий на стресс	ФБУН НИИ СБМ Роспотребнадзора, РФ, Москва	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология
72	Меркулов	Павел	Создание линий растений <i>A. thaliana</i> с повышенной копийностью мобильных элементов как ресурса для функциональной геномики и мобиломики	Московский физико- технический институт, Долгопрудный	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология
73	Побегуц	Ольга	Путь Эшвелла как ключевое звено в формировании вирулентного фенотипа адгезивно-инвазивной <i>Escherichia coli</i>	Федеральное Государственное Бюджетное Учреждение Федеральный Научно- клинический центр физико-химической медицины Федерального медико-биологического Агентства России	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология
74	Пятибратов	Михаил	Идентификация новой системы сборки архейных и бактериальных фимбрий	Институт белка РАН, Пушкино, Московская область	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология
75	Романова	Елена	Визуализация митохондриальных геномов на примере отряда амфипод (Crustacea)	Лимнологический Институт, г. Иркутск	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология
76	Соколова	Татьяна	Реконструкция регулонной структуры <i>Methyloviumicrobium alcaliphilum</i> 20ZR на основе массового анализа транскриптомных данных	Университет Сириус, Сириус, Россия	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология

77	Старикова	Елизавета	Мобилом кишечника человека как фактор распространения антибиотикорезистентности	НИИ Системной Биологии и Медицины Роспотребнадзора, Москва	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология
78	Федорова	Валентина	Биоинформатический анализ полиморфизма генов интерналинов <i>inlA</i> и <i>inlB</i> Штамма <i>Listeria monocytogenes</i> АУФ	ФГБОУ ВО Вавиловский университет, г. Саратов	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология
79	Фролова	Надежда	Изучение первичного и вторичного метаболома растений в условиях их адаптации к стрессам	Институт Физиологии Растений им. Тимирязева РАН, Москва, Россия	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология
80	Чадаева	Ирина	Онтологический подход к анализу дифференциальной экспрессии генов на основе больших транскриптомных данных	ИЦиГ СО РАН Новосибирск	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология
81	Чемерис	Алексей	Секвенирование полных диплоидных геномов высших организмов должно стать новой парадигмой в изучении ядерного генетического материала	Институт биохимии и генетики Уфимского федерального исследовательского центра Российской академии наук	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология
82	Чудинов	Иван	Протеогеномный анализ для контроля состава пищевой продукции на примере определения фальсификации травяных напитков	НИИ СБМ Роспотребнадзора, Москва	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология
83	Щеголев	Сергей	Пангеномный анализ прокариотов как эффективный инструмент в таксономических и функциональных исследованиях представителей семейств <i>Micrococcaceae</i> и <i>Azospirillaceae</i>	ИБФРМ РАН	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология
84	Ябурова	Екатерина	Наличие гена <i>mprF</i> и его фенотипическое проявление у бактерий рода <i>Listeria</i>	ПФИЦ УрО РАН, Пермь	Симпозиум 3, 18. Биоинформатика и системная биология
85	Абушинова	Герел	Разработка флуоресцентных зондов на основе dCas9 и флуоресцентных белков, способных образовывать FRET-пары, для визуализации геномных локусов	Институт общей генетики РАН, Москва	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
86	Александрова	Анжела	Анализ межгенных взаимодействий полиморфных локусов генов TLRs при развитии тяжелой формы COVID-19	Южный федеральный университет, г. Ростов- на-Дону	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
87	Алиева	Анеля	МФТП-индуцированная хроническая модель болезни Паркинсона	НИЦ «Курчатовский институт», Москва	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
88	Аль Фаррух	Мохаммад	Механизм противовирусного действия наночастиц серебра	Институт экспериментальной медицины, Санкт-Петербург, Университет ИТМО, Санкт-Петербург, Санкт-Петербургский политехнический университет Петра Великого	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека

89	Бабушкина	Надежда	Дифференциальная экспрессия генов NBN, ATM, MLH1 в клеточных моделях астмы и туберкулеза	НИИ медицинской генетики Томского НИМЦ, Томск	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
90	Бажан	Надежда	Возраст начала диеты влияет на накопление белого жира и экспрессию генов в метаболических тканях у мышей с ожирением	ИЦиГ СО РАН, Новосибирск	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
91	Балан	Ольга	Персистенция нуклеотидных последовательностей неструктурных белков SARS-CoV-2 в циркулирующих моноцитах спустя 12 месяцев после COVID-19.	Институт биологии КарНЦ РАН, г. Петрозаводск	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
92	Балыбина	Наталья	Особенности влияния фактора роста фибробластов 21 (FGF21) на признаки неалкогольной жировой болезни печени в моделях моногенного и полигенного ожирения у мышей	Институт цитологии и генетики СО РАН, Новосибирск	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
93	Безрукова	Анастасия	Протеинкиназа mTOR – потенциальная мишень для терапии болезни Паркинсона	Петербургский институт ядерной физики им. Б.П. Константинова НИЦ «Курчатовский институт», Гатчина	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
94	Берёзов	Александр	Оценка роли полиморфных вариантов генов системы метаболизма, транспорта и рецепции основных нейромедиаторов в развитии болезни Паркинсона	Биологический факультет, МГУ имени М.В.Ломоносова, Москва	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
95	Березовская	Мария	Разработка методики для детекции и генотипирования <i>Mycobacterium tuberculosis</i> на основе 4WJ ДНК-сенсоров и наночастиц	Университет ИТМО, Санкт-Петербург	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
96	Берсимбай	Рахметкажи	Genotoxic and epigenetic effects of chrysotile asbestos	Евразийский национальный исследовательский университет им.Л.Н.Гумилева	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
97	Бобков	Глеб	Возможности использования ДНК-наносенсоров на основе разделенных аптамеров для диагностирования генных и геномных мутаций	ИТМО, Санкт- Петербург	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
98	Бордаева	Оксана	Роль полиморфных вариантов генов в развитии преэклампсии и поиск связывающихся с ними микроРНК и днРНК	Южный федеральный университет г.Ростов- на-Дону	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
99	Буслаев	Владислав	Генетический анализ формирования риска развития рака лёгкого у некурящих пациентов	Федеральный исследовательский центр угля и углехимии СО РАН, Кемерово	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
100	Васильева	Алина	Уровни транскриптов генов RORγ и FOXP3 в ЛПК пациентов с разными формами НАЖБП	Институт биологии Карельского научного центра РАН, Петрозаводск	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека

101	Велижанина	Мария	Изучение прионов и амилоидов с помощью дрожжевой модели	СПбГУ, Санкт-Петербург	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
102	Голоенко	Иннеса	Ассоциация полиморфных локусов CYP2C9*2 и CYP2C9*3 с фармакорезистентностью пациентов с шизофренией	Республиканский научно-практический центр психического здоровья, Минск	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
103	Грунина	Мария	Экспрессия генов DRD1 и HRH1 в патогенезе расстройств шизофренического спектра и прогнозе антипсихотической терапии	НИЦ «Курчатовский институт» – ПИЯФ, Гатчина	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
104	Джамбетова	Петимат	Функциональные полиморфизмы генов оксидативного стресса и репарации как биомаркеры риска развития РМЖ	Чеченский государственный университет им. А.А.Кадырова	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
105	Джапаридзе	Людмила	Разработка противовирусных средств нового поколения для защиты от респираторных вирусных инфекций на платформе прикладной электровирусологии	Санкт-Петербургский Научный Центр РАН, Санкт-Петербург	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
106	Драчева	Ксения	Влияние экстраклеточных везикул жировой ткани на экспрессию генов обратного транспорта холестерина в макрофагах человека	Петербургский институт ядерной физики им. Б.П. Константинова, НИЦ «Курчатовский институт», Гатчина	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
107	Дроздова	Елена	Роль полиморфизма rs5760492 гена гамма-глутамилтрансферазы 1 в развитии инфаркта мозга	Курский государственный медицинский университет, Курск	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
108	Жигалина	Дарья	Транскриптомный анализ единичных клеток эмбрионидных теллец человека	НИИ медицинской генетики Томского НИМЦ РАН, Томск, РФ	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
109	Жук	Анна	Динамика накопления мутаций в геноме раковых клеток больных множественной миеломой	Университет ИТМО, Санкт-Петербург	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
110	Журавлев	Александр	Изучение взаимосвязи вариантов гена SNCA и уровня мРНК его сплайсинг изоформ на активность лизосомных ферментов у пациентов с синуклеинопатиями в клетках периферической крови	НИЦ «Курчатовский институт» – ПИЯФ, Гатчина	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
111	Зобнина	Анастасия	Масштабный скрининг мутаций белка PrP мыши, приводящих к усилению или ослаблению его способности к амилоидной агрегации	Научная лаборатория биологии амилоидов, Санкт-Петербургский государственный университет, Россия, Санкт-Петербург	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
112	Иванова	Екатерина	Полиморфизм генов семейства цитохромов P- 450 и коморбидная патология у пациентов с COVID-19.	Южный Федеральный Университет, Ростов- на-Дону	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
113	Ильичева	Екатерина	Влияние высококалорийной диеты на метаболизм меди в жировой ткани гетерозиготных мышей, нокаутных по гену болезни Вильсона Atp7b	Университет ИТМО, Санкт-Петербург	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека

114	Казанцева	Антонина	Оценка уровня мРНК генов Fgf21 и Klf у мышей с разной степенью развития ожирения.	ФИЦ ИЦиГ СО РАН, Новосибирск	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
115	Карпенко	Андрей	Ассоциация полиморфного варианта rs910652 гена HSPA12B с тяжелым течением COVID-19	Курский государственный медицинский университет, Курск	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
116	Кашеева	Татьяна	Динамика возраста матерей и эффективность пренатального скрининга в Санкт-Петербурге (2013-2023)	ФГБНУ "НИИ АГиР им.Д.О.Отта", Санкт-Петербург	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
117	Киселев	Иван	Новая мутация с.2781_2782insCACA в гене MYBPC3 вызывает значительное снижение уровня транскрипта гена в миокарде при гипертрофической кардиомиопатии	Национальный медицинский исследовательский центр кардиологии им. академика Е. И. Чазова Министерства здравоохранения Российской Федерации, Москва, Россия	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
118	Класс	Анна	Дифференциальная экспрессия генов у пациентов с наследственной и спорадической формами гипертрофической кардиомиопатии	НИЦ «Курчатовский институт», Москва	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
119	Кныш	Георгий	Роль полиморфного варианта RS187084 гена TLR-9 в развитии остеоартроза в различных популяциях	Академия Биологии и биотехнологии ЮФУ, г. Ростов-на-Дону	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
120	Кобзева	Ксения	Связь вариаций гена HSPA4 с риском развития ишемического инсульта	Курский государственный медицинский университет, Курск	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
121	Колпаков	Федор	Цифровой двойник пациента	Научно-технологический Университет "Сириус", пгт. Сириус	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
122	Комиссаров	Артем	Анализ экспрессии генов в тканях пациентов с диагнозом амиоплазия	Федеральное государственное бюджетное учреждение «Петербургский институт ядерной физики им. Б.П. Константинова Национального исследовательского центра «Курчатовский институт», Гатчина	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
123	Косачева	Елизавета	Генетический скрининг детей больных гипоспадией: исследование гена CFTR и локуса AZF методом ПЦР в реальном времени	Научно-исследовательский институт урологии и интервенционной радиологии имени Н.А. Лопаткина – филиал НМИЦ радиологии Минздрава России, Москва	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
124	Лаптиева	Сергей	Анализ фенотипа для верификации прогероидного синдрома	ФГБОУ ВО ПСПбГМУ им. акад. И.П. Павлова МЗ РФ	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
125	Лукашевич	Мария	Анализ экспрессии длинных некодирующих РНК при моделировании болезни Паркинсона	НИЦ «Курчатовский институт», Москва	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека

126	Магазенкова	Дарья	Изучение механизма нетипичного течения болезни Вильсона, выражающееся в восстановлении показателей статуса меди у взрослых мышей с нокаутом гена АТР7В-/-	ФГБНУ "Институт экспериментальной медицины", Санкт-Петербургский политехнический университет Петра Великого, Университет ИТМО	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
127	Макарова	Елена	Влияние ожирения и диеты матерей в период беременности на склонность к развитию ожирения и вкусовые предпочтения у потомства мышей разного пола.	ИЦиГ СОРАН г. Новосибирск	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
128	Малахова	Анастасия	Активация процесса партанатоса в нейронах, дифференцированных из ИПСК пациентов с нейродегенеративными заболеваниями	Федеральное государственное бюджетное научное учреждение Федеральный исследовательский центр «Институт цитологии и генетики Сибирского отделения Российской академии наук»	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
129	Мальшева	Ирина	Полиморфные варианты генов TLR4 (rs4986790, rs4986791), MTOR (rs2295080, rs1883965) и риск развития саркоидоза лёгких	ИБ КарНЦ РАН	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
130	Маслова	Кристина	Поиск экспрессионных генетических маркеров, ассоциированных с феохромоцитомой	МГУ им. М.В. Ломоносова, Биологический факультет, г. Москва	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
131	Медведев	Сергей	Модели заболеваний человека на основе индуцированных плюрипотентных стволовых клеток – ожидания и реальность	Институт цитологии и генетики СО РАН, Новосибирск	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
132	Мезенцев	Александр	Моделирование воздействия на биологические эффекты фактора некроза опухоли посредством РНК-интерференции ММП9 при псориазе.	Центр теоретических проблем физико- химической фармакологии РАН	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
133	Меркулова	Татьяна	Выявление регуляторных SNPs, потенциально вовлеченных в механизмы развития диабета 2 типа и ответ на метформин.	ФИЦ ИЦиГ СО РАН, РФ, г. Новосибирск, пр. Лаврентьева, 10	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
134	Минин	Артем	Анализ экспрессии генов иммунного ответа в мононуклеарах крови у больных раком легкого	Кемеровский государственный университет	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
135	Мокроусов	Артём	Особенности мозга <i>D. melanogaster</i> лабораторных линий <i>eyeless</i>	ФГАОУ ВО Уральский Федеральный университет имени первого Президента России Б.Н. Ельцина	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
136	Насыхова	Юлия	Первые результаты пилотного проекта по комплексному генетическому обследованию пар с невынашиванием беременности на раннем сроке	ФГБНУ "НИИ АГиР им. Д.О. Отта", Санкт-Петербург	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
137	Островская	Юлия	Изучение локализации мутантной мРНК методом флуоресцентной гибридизации <i>in situ</i> на изогенной модели болезни Гентингтона с индуцибельной экспрессией участка гена НТТ, содержащего СAG-повторы разной длины	Лаборатория клеточной биологии ФНКЦ ФХМ им. Ю.М. Лопухина, Москва	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека

138	Рогачева	Анастасия	Взаимодействия полиморфизмов вариантов генов факторов свертываемости крови и врожденного иммунитета и их влияние на тяжесть течения COVID-19	Южный федеральный университет, Ростов- на-Дону, Россия	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
139	Самусева	Полина	Особенности фенотипа штамма <i>C. elegans</i> , несущего аминокислотную замену, гомологичную H1069Q в гене болезни Вильсона (БВ)	ФГБНУ «Институт экспериментальной медицины», СПб политехнический университет Петра Великого, ИТМО Университет	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
140	Сидоров	Денис	Роль полиморфизма гена p53 в патогенезе острого панкреатита	Национальный исследовательский Мордовский государственный университет им. Н.П. Огарёва, г. Саранск	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
141	Сломинский	Петр	Мета анализ данных полнотранскриптомного профилирования миокарда при различных наследственных заболеваниях сердца: РНК маркеры гипертрофической кардиомиопатии	НИЦ "Курчатовский институт"	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
142	Софронова	Виктория	Пренатальная диагностика Мукополисахаридоз-плюс синдрома	Северо-Восточный Федеральный университет, НИЛ «Молекулярная медицина и генетика человека»	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
143	Стюфляева	Юлия	Разработка подхода для детекции мультимерных форм пептида $A\beta$ человека в чрезвычайно малых концентрациях	Университет ИТМО, Санкт-Петербург	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
144	Табаханова	Людмила	Частота аллеля -772A гена FUT 2, ассоциированного с невосприимчивостью к <i>Helicobacter pylori</i> , в выборках якутов и русских Восточной Сибири	Федеральное государственное бюджетное научное учреждение «Федеральный исследовательский центр Институт цитологии и генетики Сибирского отделения Российской академии наук», г. Новосибирск	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
145	Ткаченко	Александр	Систематическое сравнение генетических эффектов в биобанке Британии (UKB) и FinnGen для выявления детерминантов воспроизводимости ассоциаций	ФГБНУ «НИИ АГиР им.Д.О.Отта», Санкт- Петербург	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
146	Федотов	Дмитрий	CNV, ассоциированные с нарушениями психомоторного развития, как возможная причина эмбриональной гибели	НИИ медицинской генетики, Томский национальный исследовательский медицинский центр РАН, Россия, Томск, Наб. р. Ушайки, 10, 634050	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
147	Филатова	Александра	Проведение функционального анализа для подтверждения патогенности вариантов нуклеотидной последовательности у пациентов с наследственными заболеваниями	ФГБНУ «Медико- генетический научный центр имени академика Н.П. Бочкова»	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
148	Черных	Вячеслав	Комплексное генетическое и клиническое исследование как инструмент изучения репродуктивной патологии, причин и механизмов ее развития и фенотипической вариабельности	ФГБНУ «Медико-генетический научный центр им. академика Н.П. Бочкова», Москва	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека

149	Чижков	Павел	Применение молекулярно- генетических методов для выявления биоразнообразия микробиоты у лиц с метаболическими нарушениями	ФГБОУ ВО ВГУ, Воронеж	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
150	Шепталина	Снежана	Роль генетических вариантов генов, кодирующих белки дофаминергической и холецистокининергической систем, в патогенезе панических расстройств пациентов московского региона	Московский государственный университет имени М.В.Ломоносова, Москва	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
151	Шкоденко	Любовь	Разработка технологии на основе изотермической амплификации, совмещенной с детекцией дезоксирибозимами для диагностики инфекций нижних дыхательных путей	ИТМО, Санкт- Петербург	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
152	Штыкалова	Софья	Генная терапия миомы матки с помощью невирусной доставки суицидного гена тимидинкиназы HSV-ТК.	НИИ Акушерства, гинекологии и репродуктологии им. Д.О. Отта, Санкт-Петербург	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
153	Шульгина	Ангелина	Влияние генетического варианта с.1977G>A гена МУН7 на развитие гипертрофической кардиомиопатии	Институт цитологии и генетики сибирского отделения российской академии наук (ИЦиГ СО РАН)	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
154	Шульская	Марина	Анализ изменения экспрессии генов в тканях мозга мышцей с МФТП- индуцированной хронической моделью болезни Паркинсона	НИЦ «Курчатовский институт», Москва	Симпозиум 4. Медицинская генетика и моделирование болезней человека
155	Айбазов	Али-Магомет	Криорезистентность и приживляемость эмбрионов овец, полученных на разной стадии развития и криоконсервированных разными технологиями	ФГБНУ Северо- Кавказский ФНАЦ	Симпозиум 5. Селекция и биотехнология животных
156	Беломестнов	Константин	Полиморфизм генов β- лактоглобулина и α-лактальбумина у коз альпийской породы	ФГБОУ ВО Ставропольский государственный аграрный университет, город Ставрополь	Симпозиум 5. Селекция и биотехнология животных
157	Гостева	Екатерина	Определение типов конституции в популяции симментальского скота по удельно-массовому коэффициенту	ФГБНУ "ФАНЦ Юго-Востока"	Симпозиум 5. Селекция и биотехнология животных
158	Коник	Нина	Новый комплексный селекционный индекс в селекции животных	ФГБОУ ВО "Саратовский государственный университет генетики, биотехнологии и инженерии имени Н.И. Вавилова"	Симпозиум 5. Селекция и биотехнология животных
159	Селионова	Марина	Анализ ассоциаций однонуклеотидных замен с компонентами молока коз	ФГБОУ ВО «РГАУ-МСХА имени К.А. Тимирязева», Москва	Симпозиум 5. Селекция и биотехнология животных
160	Сермягин	Александр	Идентификация полиморфизма в генах, ассоциированных с биомаркерами компонентного состава молока коров, с использованием методов геномного анализа и инфракрасной спектроскопии	ФГБНУ ФИЦ ВИЖ им. Л.К. Эрнста, Подольск, Московская область	Симпозиум 5. Селекция и биотехнология животных

161	Снегин	Эдуард	Создание мультиплексной NGS-панели для улучшения селекционной работы в области свиноводства	Белгородский государственный национальный исследовательский университет, г.Белгород	Симпозиум 5. Селекция и биотехнология животных
162	Хаудов	Алий-бек	Генетическая структура лошадей кабардинской породы по генам MC1R и ASIP, детерминирующие масть	Кабардино-Балкарский научный центр Российской академии наук, г. Нальчик	Симпозиум 5. Селекция и биотехнология животных
163	Гаврилов	Александр	Влияние цитоплазматического pH на фазовую сепарацию Sup35NM в клетках <i>Saccharomyces cerevisiae</i> при стрессовых воздействиях	Научная лаборатория биологии амилоидов СПбГУ, Санкт-Петербург	Симпозиум 6. Посттрансляционные процессы
164	Куличихин	Константин	Сравнительная характеристика штаммов [PSI+], образованных белком Sup35 с делециями различных участков прионогенного домена	Санкт-Петербургский государственный университет, Санкт-Петербург, Россия	Симпозиум 6. Посттрансляционные процессы
165	Прохоров	Вячеслав	Поиск амилоидогенных белков человека с использованием тест- системы на модели дрожжей <i>Saccharomyces cerevisiae</i>	Санкт-Петербургский государственный университет	Симпозиум 6. Посттрансляционные процессы
166	Серегина	Татьяна	Синтез рибозо-5-фосфата как фактор, модулирующий чувствительность клеток <i>E. coli</i> к антибиотикам	Институт молекулярной биологии им. В.А. Энгельгардта Российской академии наук, Москва	Симпозиум 6. Посттрансляционные процессы
167	Трубицина	Нина	Поиск белков, способных коагрегировать с альфа-синуклеином в протеомах бактерий	Санкт-Петербургский государственный университет, кафедра генетики и биотехнологии, Санкт-Петербург	Симпозиум 6. Посттрансляционные процессы
168	Шувалова	Екатерина	Влияние фактора инициации трансляции eIF3 на эффективность терминации трансляции у эукариот	Институт молекулярной биологии им. В.А. Энгельгардта Российской академии наук, Москва	Симпозиум 6. Посттрансляционные процессы
169	Амосова	Александра	FISH-картирование кластеров 45S и 5S рДНК на хромосомах хозяйственно-ценных видов амаранта <i>Amaranthus cruentus</i> L. и <i>A. hypochondriacus</i> L.	Институт молекулярной биологии им. В. А. Энгельгардта РАН, г. Москва, Россия	Симпозиум 7. Эволюционная генетика
170	Андрейчук	Диана	Репродуктивные взаимоотношения между биотипами, морфологически близкими к <i>Elymus lenensis</i> (Poaceae: Triticeae)	1) Центральный Сибирский Ботанический Сад СО РАН, 2) Новосибирский Государственный Университет	Симпозиум 7. Эволюционная генетика
171	Бабовская	Анастасия	Роль естественного отбора в формировании транскриптома децидуальных клеток плаценты	Научно-исследовательский институт медицинской генетики Томского национального исследовательского медицинского центра, г. Томск	Симпозиум 7. Эволюционная генетика
172	Бабынин	Эдуард	Геномное разнообразие генов катехолдиоксигеназ у штаммов <i>Stutzerimonas stutzeri</i>	Казанский (Приволжский) федеральный университет, Татарский НИИАХП ФИЦ КазНЦ РАН	Симпозиум 7. Эволюционная генетика
173	Баскевич	Марина	Сопоставление митоза и мейоза при изучении многообразия млекопитающих на примере некоторых представителей грызунов	Институт проблем экологии и эволюции им. А.Н. Северцова РАН, Москва	Симпозиум 7. Эволюционная генетика

174	Белякова	Елена	Межвидовая дифференциация промысловых рыб рода <i>Coregonus</i> (<i>C. muksun</i> , <i>C. pidschian</i>) методом SCoT-праймеров	ФГБОУ ВО «Российский государственный педагогический университет им. А.И. Герцена», Санкт-Петербургский филиал ФГБНУ «ВНИРО» («ГосНИОРХ» им. Л.С. Берга)	Симпозиум 7. Эволюционная генетика
175	Бондарук	Дмитрий	Анализ моделей укороченной изоформы белка Nx11 различных представителей Metazoa и таксономические различия	Санкт-Петербургский государственный университет, Россия, Санкт-Петербург	Симпозиум 7. Эволюционная генетика
176	Вульф	Константин	Применение метода SCoT-праймеров для генетической дифференциации ряпушки (<i>C. albula</i> , <i>C. sardinella</i>)	Санкт-Петербургский филиал ФГБНУ «ВНИРО» («ГосНИОРХ» им. Л.С. Берга) Санкт-Петербург, Россия.	Симпозиум 7. Эволюционная генетика
177	Жукова	Алина	Генетический полиморфизм муксуна (<i>C. muksun</i>) и пыжьяна (<i>C. pidschian</i>), сем. Coregonidae	ФГБОУ ВО «Российский государственный педагогический университет им. А.И. Герцена», Санкт-Петербургский филиал ФГБНУ «ВНИРО» («ГосНИОРХ» им. Л.С. Берга)	Симпозиум 7. Эволюционная генетика
178	Кальнюк	Юлия	Интеграция репитомных и цитогенетических данных для сравнительного анализа геномов видов <i>S. Officinalis</i> L. и <i>S. sclarea</i> L.	Институт молекулярной биологии им. В. А. Энгельгардта РАН, г.Москва, Россия	Симпозиум 7. Эволюционная генетика
179	Картавцева	Ирина	Ведущая роль хромосомных перестроек при быстром видообразования в роде <i>Alexandromys</i> (Rodentia, Microtinae)	ФНЦ Биоразнообразия ДВО РАН, Росси, Владивосток, Проспект 100 лет Владивостоку 159	Симпозиум 7. Эволюционная генетика
180	Кириленко	Кирилл	Биоинформатический анализ повторяющихся последовательностей криптических видов малярийных комаров <i>Anopheles messeae</i> и <i>Anopheles</i>	Томский Государственный Университет	Симпозиум 7. Эволюционная генетика
181	Кулак	Мария	Идентификация последовательностей, входящих в конститутивный гетерохроматин генома японского перепела	БИН РАН, Научный Парк СПбГУ, РЦКП "Хромас", Санкт-Петербург	Симпозиум 7. Эволюционная генетика
182	Редкоп	Илья	Видоспецифичные маркеры мейотических хромосом трех видов гадюк рода <i>Vipera</i>	Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова РАН, Москва	Симпозиум 7. Эволюционная генетика
183	Реутова	Нина	Полиплоидизация как результат расселения растений в антропогенно нарушенные районы высокогорья	Федеральный научный центр «Кабардино-Балкарский научный центр Российской академии наук»	Симпозиум 7. Эволюционная генетика
184	Санникова	Анастасия	Анализ эволюционной вариабельности длины теломера у модельных мохообразных	Казанский (Приволжский) Федеральный Университет	Симпозиум 7. Эволюционная генетика
185	Соболева	Евгения	Анализ инвертированных синтенных блоков в х хромосоме малярийного комара <i>Anopheles messeae</i>	Лаборатория эволюционной цитогенетики, ТГУ, Томск, Россия	Симпозиум 7. Эволюционная генетика
186	Суслов	Валентин	Гомологичности Н.И. Вавилова и Э.Д. Копа	Институт цитологии и генетики СО РАН, Новосибирск	Симпозиум 7. Эволюционная генетика
187	Такки	Ольга	Цитогенетическое описание хромосомы, ограниченной зародышевой линии, зебровой амадины	Санкт-Петербургский государственный университет	Симпозиум 7. Эволюционная генетика

188	Тимашева	Янина	Метаболомные паттерны естественного отбора в популяции человека	Институт биохимии и генетики УФИЦ РАН	Симпозиум 7. Эволюционная генетика
189	Харченко	Виктория	Расположение цветков на побегах гомологичное и аналогичное соцветию	Федеральное государственное бюджетное образовательное учреждение высшего образования «Луганский государственный аграрный университет имени К.Е. Ворошилова», г. Луганск	Симпозиум 7. Эволюционная генетика
190	Цуканова	Виктория	Изменчивость гена <i>cut b</i> у восточноазиатской мыши <i>Apodemus peninsulae</i> Thomas, 1906 – природного носителя хантавируса AMRV на юге Приморского края	ФНЦ Биоразнообразия наземной биоты Восточной Азии ДВО РАН, г. Владивосток	Симпозиум 7. Эволюционная генетика
191	Азаркина	Регина	Анализ секретируемых пептидов мягкой пшеницы <i>Triticum aestivum</i> в условиях засухи	Федеральное государственное бюджетное учреждение науки институт биоорганической химии им. академиков М.М. Шемякина и Ю.А. Овчинникова Российской академии наук (ФГБНУ ИБХ РАН), Москва	Симпозиум 8. Структурная и функциональная протеомика
192	Базарова	Зинаида	Анализ белков с высокой осмотической активностью из сыворотки крови трески атлантической <i>Gadus morhua</i> в терминах генной онтологии	Институт биологии внутренних вод им. И.Д. Папанина, Ярославская обл., п. Борок	Симпозиум 8. Структурная и функциональная протеомика
193	Гурина	Анастасия	Протеомный подход в изучении роли рост-стимулирующих ризобактерий в устойчивости растений томата к засухе	Санкт-Петербургский Государственный Университет, Университетская наб, 7/9, Санкт-Петербург, Россия	Симпозиум 8. Структурная и функциональная протеомика
194	Алсет	Дема	Genetic variations of lncRNA-H19 and miR-33 in association with fetal growth restriction	Southern Federal University	Симпозиум 9. Генетика человека
195	Бочарова	Анна	Генетическое разнообразие популяций Северной Евразии по маркерам, ассоциированным с заболеваниями, нарушающими когнитивные функции человека	НИИ медицинской генетики Томского НИМЦ	Симпозиум 9. Генетика человека
196	Бутенко	Елена	Изучение ассоциации однонуклеотидных полиморфизмов, локализованных в некодирующих регионах перед генами интерлейкинов, с бесплодием различного генеза.	ФГАОУ ВО "Южный федеральный университет", Ростов- на-Дону	Симпозиум 9. Генетика человека
197	Васильев	Станислав	Аномалии метилома при ранней эмбриональной гибели	НИИ медицинской генетики, Томский национальный исследовательский медицинский центр РАН, г. Томск	Симпозиум 9. Генетика человека
198	Вольчик	Варвара	Анализ уровня метилирования промоторного участка гена CADM1 у женщин с клинически значимой концентрацией ВПЧ	Южный федеральный университет, Ростов- на-Дону	Симпозиум 9. Генетика человека
199	Грачева	Алеся	Роль редких генетических вариантов при тяжелом течении COVID-19	НИИ общей реаниматологии им. В.А. Неговского Федерального научно- клинического центра реаниматологии и реабилитологии (ФНКЦ РР), Москва	Симпозиум 9. Генетика человека

200	Данильченко	Валерия	Роль эффекта основателя в распространенности патогенных вариантов с.919-2A>G, с.2027T>A и с.1545T>G гена SLC26A4, ассоциированных с потерей слуха, в Республике Тыва (Южная Сибирь)	Федеральный исследовательский центр Институт цитологии и генетики СО РАН, Новосибирск, Россия;	Симпозиум 9. Генетика человека
201	Жалсанова	Ирина	Молекулярно-генетическая диагностика несовершенного остеогенеза в Томской области	Научно-исследовательский институт медицинской генетики, Томский национальный исследовательский медицинский центр Российской академии наук, Томск	Симпозиум 9. Генетика человека
202	Иванова	Роза	Спектр выявленных мутаций у больных с несовершенным остеогенезом в Якутии методом NGS	1 - ФГАОУ ВО «СВФУ им. М.К. Аммосова», Якутск, Россия; 2 - ГАУ РС(Я) РБ№1-НЦМ, Якутск, Россия	Симпозиум 9. Генетика человека
203	Ид	Муэз	Association of GSTP1 and GPX4 genetic variants with COVID-19 severity	Southern Federal University	Симпозиум 9. Генетика человека
204	Колесников	Никита	Сигналы направленного отбора в популяциях коренного населения Сибири	Научно-исследовательский институт медицинской генетики, Томский национальный исследовательский медицинский центр Российской академии наук, Томск	Симпозиум 9. Генетика человека
205	Копытова	Алена	Изменение липидного профиля и морфологии экстраклеточных везикул плазмы крови при болезни Паркинсона, ассоциированной с мутациями в гене GBA1	НИЦ «Курчатовский институт» – ПИЯФ, Гатчина	Симпозиум 9. Генетика человека
206	Лобанов	Михаил	Генетические основы предпочтений в пищевом поведении	Федеральное государственное бюджетное образовательное учреждение высшего образования «Саратовский государственный медицинский университет имени В.И. Разумовского» Министерства здравоохранения Российской Федерации	Симпозиум 9. Генетика человека
207	Локтионов	Алексей	Средовые факторы риска модифицируют ассоциацию полиморфного варианта rs17713054 с тяжелым течением COVID-19	Курский государственный медицинский университет, Курск	Симпозиум 9. Генетика человека
208	Манагарова	Оливия	Анализ клонов, содержащих двуцепочечные разрывы ДНК	Федеральное государственное бюджетное образовательное учреждение высшего образования «Российский биотехнологический университет (Росбиотех)», Москва	Симпозиум 9. Генетика человека
209	Маркелов	Виталий	Профиль экспрессии длинных некодирующих РНК и генов, вовлеченных в клеточное старение и окислительный стресс у больных с хронической обструктивной болезнью легких	Институт биохимии и генетики – обособленное структурное подразделение Уфимского федерального исследовательского центра Российской академии наук	Симпозиум 9. Генетика человека
210	Машкина	Елена	Анализ транскрипции генов системы репарации при ВПЧ-инфекции	Южный федеральный университет	Симпозиум 9. Генетика человека

211	Муружева	Замира	Роль нарушений метаболизма меди в повышении риска развития болезни Паркинсона	ФГБНУ "Институт экспериментальной медицины", Санкт-Петербург	Симпозиум 9. Генетика человека
212	Николаев	Михаил	Взаимосвязь дисфункции глюкоцереброзидазы и накопления альфа-синуклеина при наличии мутаций в гене GBA1 в контроле и при болезни Паркинсона	НИЦ «Курчатовский институт» – ПИЯФ, Гатчина, Россия	Симпозиум 9. Генетика человека
213	Пономарева	Любовь	Ассоциация полиморфного варианта rs547025 гена SIRT3 с развитием миомы матки в популяции Центральной России	Курский государственный медицинский университет, Курск	Симпозиум 9. Генетика человека
214	Рыкова	Елена	Поиск и функциональный анализ регуляторных полиморфизмов в сайтах связывания микроРНК на основе омиксных технологий	ФГБНУ ФИЦ Институт цитологии и генетики СО РАН, Новосибирск; НГТУ, Новосибирск, РФ	Симпозиум 9. Генетика человека
215	Рябинина	Марина	Амилоидогенез и рак: поиск новых потенциальных мишеней для терапии	Санкт-Петербургский государственный университет, Санкт-Петербург, Россия	Симпозиум 9. Генетика человека
216	Толмачева	Екатерина	Связь нарушений метилирования в ворсинах хорiona с жизнеспособностью эмбрионов с трисомией хромосомы 16 и моносомией хромосомы X	НИИ медицинской генетики Томского НИМЦ	Симпозиум 9. Генетика человека
217	Тонян / Tonyan	Зиравард / Ziravard	Исследование спектра микроРНК в плазме крови у пациентов с сахарным диабетом 2 типа	ФГБНУ "НИИ АГиР им. Д.О. Отта", Санкт-Петербург	Симпозиум 9. Генетика человека
218	Фонова	Елизавета	Молекулярно-генетическая диагностика пациентов с нервно-мышечными заболеваниями в Томской области	Научно-исследовательский институт медицинской генетики, Томский национальный исследовательский медицинский центр Российской академии наук, г. Томск	Симпозиум 9. Генетика человека
219	Хитринская	Ирина	Гаплогруппа N1a2 Y- хромосомы: оценка филогении и возраста этноспецифичных сублиний у народов Сибири и Европы	Научно-исследовательский институт медицинской генетики, Федеральное государственное бюджетное научное учреждение «Томский национальный исследовательский медицинский центр Российской академии наук», Томск	Симпозиум 9. Генетика человека
220	Шкурат	Михаил	Полиморфизм гена NFE2L2 у детей с избыточным массой тела	Южный федеральный университет, г. Ростов-на-Дону	Симпозиум 9. Генетика человека
221	Михайлова	Анастасия	Оценка информированности ученых и медицинских работников в Российской Федерации о биобанкировании как первый шаг к преодолению барьера между пациентом и биобанком	ФГБНУ "НИИ АГиР им. Д.О. Отта", Санкт-Петербург	Симпозиум 9. Генетика человека
222	Ji	Zhiyuan	Coevolution Unveiled: Sulfate Transporters Mediate Rice resistance and susceptibility to <i>Xanthomonas oryzae</i> pv. <i>oryzicola</i>	Institute of Crop Sciences, Chinese Academy of Agricultural Sciences, Beijing	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений

223	Liu	Yapei	PWL1, a G-type lectin receptor-like kinase, positively regulates leaf senescence and heat tolerance but negatively regulates resistance to <i>Xanthomonas oryzae</i> in rice	Institute of Crop Sciences, Chinese Academy of Agricultural Sciences, Beijing, China	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
224	Yanhua	Yu	Systematic functional analysis of the TALEs of <i>Xanthomonas campestris</i> pv. <i>campestris</i> revealed potential susceptibility genes explored by the pathogen	State Key Laboratory for Conservation and Utilization of Subtropical Agro- bioresources, Nanning	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
225	Аблова	Ирина	Сорта пшеницы и тритикале для органического сельского хозяйства на юге РФ	ФГБНУ "НЦЗ им. П.П. Лукьяненко"	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
226	Алкубеси	Малак	Использование маркер- ориентированной селекции и Speed Breeding для созданий форм с заданным аллельным составом у озимой мягкой пшеницы	ВНИИСБ, Москва	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
227	Антипов	Александр	Взаимосвязь устойчивости растений дикого вида картофеля <i>S. chacoense</i> к вирусу Y с наличием ДНК маркеров на ген устойчивости Rychc	Всероссийский научно- исследовательский институт сельскохозяйственной биотехнологии, Москва	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
228	Архестова	Дженет	Изменения профиля экспрессии генов биосинтеза каротиноидов в ответ на холодовой стресс у образцов кукурузы <i>Zea mays</i> , контрастных по холодостойкости	ФИЦ «Фундаментальные основы биотехнологии» РАН, Москва, Россия	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
229	Баштовенко	Ксения	Транскрипционный фактор WOX2 в развитии корней и симбиотических клубеньков у люцерны <i>Medicago truncatula</i>	Санкт-Петербургский государственный университет	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
230	Беляева	Елена	Проявление апомиксиса у линии зерновой сорго AC-3	ФГБНУ "ФАНЦ Юго-Востока"	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
231	Бемова	Виктория	Методика создания высокоурожайных сортов арахиса (<i>Arachis hypogaea</i> L.).	Федеральный исследовательский центр Всероссийский институт генетических ресурсов растений имени Н.И. Вавилова, г. Санкт-Петербург	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
232	Бережная	Алина	Изучение коллекции растений пшеницы с мутациями в промоторной области гена PPD-1	ФГБНУ «Федеральный исследовательский центр Институт цитологии и генетики СО РАН», Новосибирск	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
233	Бережнева	Зоя	Изменения в антиоксидантной системе побегов пшеницы сорта «Курьер» при экзогенной обработке новым препаратом «Агрокор»	Институт биохимии и генетики УФИЦ РАН	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
234	Беренсен	Федор	Поиск генетической устойчивости к мучнистой росе у образцов тыквенных культур коллекции ВИР и форм собственной селекции Крымской ОСС ВИР	ФИЦ «Всероссийский институт генетических ресурсов растений имени Н.И. Вавилова» (ВИР), Санкт-Петербург	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений

235	Борисенко	Натали	Фенотипические и генотипические особенности линий зернового сорго, несущих генетическую конструкцию для РНК-сайленсинга гена гамма-кафирина	ФГБНУ "ФАНЦ Юго-Востока"	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
236	Боровик	Александр	Северокавказский и Нижневолжский ареал эгилопса цилиндрического (<i>Aegilops cylindrica</i>) как важный фактор эволюции пшеницы	ФГБНУ "Национальный центр зерна им. П.П. Лукьяненко"	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
237	Брускин	Сергей	Использование РНК- аптамеров для ингибирования действия факторов вирулентности патогенов растений	ИОГен РАН, Москва	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
238	Брынчикова	Анна	Поиск белковых комплексов, стимулирующих регенерацию у <i>Medicago truncatula</i>	Научно- технологический университет "Сириус"	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
239	Бурсаков	Сергей	Кольцевые РНК - еще один уровень регуляции генов растений	Федеральное Государственное Бюджетное Научное Учреждение «Всероссийский научно-исследовательский институт сельскохозяйственной биотехнологии» (ФГБНУ ВНИИСБ), Москва	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
240	Вожжова	Наталия	Определение аллельного состояния гена <i>Psu1-A1</i> в селекционных образцах озимой твердой пшеницы	ФГБНУ «АНЦ «Донской», г. Зерноград	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
241	Волков	Кирилл	Характеристика образцов коллекции ВИР по аллельному составу генов <i>Rht-B1</i> и <i>Rht-D1</i>	Федеральное государственное бюджетное научное учреждение «Федеральный исследовательский центр Всероссийский институт генетических ресурсов растений имени Н.И. Вавилова», Санкт-Петербург	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
242	Гаврилова	Ольга	Resistance of oat genotypes from Federal Research Center "Nemchinovka" to contamination with <i>Fusarium</i> fungi	All-Russian Institute of Plant Protection (VIZR), St. Petersburg, Russia	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
243	Ганчева	Мария	Механизм регуляции клубнеобразования у картофеля с помощью азота в среде	Санкт-Петербургский государственный университет, Россия, 199034, Санкт-Петербург.	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
244	Голушко	Никита	Метаболическое профилирование зерна пшеницы для оценки питательных качеств сортов	Кафедра физиологии и биохимии растений, Санкт-Петербургский государственный университет, Санкт-Петербург, Россия;	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
245	Гяургиев	Азамат	Определение содержания хлорофилла и экспрессии генов его метаболизма в селекционных линиях кукурузы	ИСХ КБНЦ РАН	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
246	Дмитриева	Анна	Возможности применения ускоренного выращивания (Speed Breeding) кукурузы (<i>Zea Mays</i> L.)	Всероссийский научно-исследовательский институт сельскохозяйственной биотехнологии, Москва	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
247	Додуева	Ирина	Механизмы фотопериодической регуляции развития запасяющего корня редис	Санкт-Петербургский государственный университет, Санкт- Петербург	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений

248	Дымо	Алина	Регуляция иммунного ответа у растений гороха при бобово-ризобийном симбиозе	ФГБНУ ВНИИСХМ, Санкт-Петербург	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
249	Ермоленко	Наталья	Изучение морфогенетической способности различных сортов гороха и видов эксплантов при микроклональном размножении в культуре <i>in vitro</i>	РУП " Научно -практический центр НАН Беларуси по земледелию", г. Жодино	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
250	Жиганов	Данил	Генофонд источников хозяйственно-ценных признаков озимой ржи	ФГБНУ "ФАНЦ Юго-Востока"	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
251	Захаров	Владимир	Результаты селекционной работы по созданию перспективных линий яровой мягкой пшеницы интенсивного морфотипа	Самарский федеральный исследовательский центр РАН, Ульяновский научно- исследовательский институт сельского хозяйства	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
252	Зубкович	Александр	Состояние и перспективы выведения новых сортов кормового ячменя в Беларуси	РУП «Научно-практический центр НАН Беларуси по земледелию», г.Жодино, Беларусь.	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
253	Казанцев	Михаил	Контролируемая активация и получение новых инсерций ретротранспозонов у подсолнечника <i>Helianthus annuus L.</i>	Московский физико- технический институт (национальный исследовательский университет), Долгопрудный	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
254	Калинина	Алла	Влияние чужеродного генетического материала на морфологическое строение побегов некоторых интрогрессивных линий яровой мягкой пшеницы	ФГБНУ ФАНЦ Юго-Востока	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
255	Камнев	Антон	Новые ретротранспозонные маркёры для изучения генетического разнообразия сортов малины	ФИЦ "Всероссийский институт генетических ресурсов растений им. Н.И. Вавилова (ВИР)", Санкт-Петербург	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
256	Кан	Людмила	Определение пloidности селекционных и биотехнологических образцов овощных пропионо-лакмоидным методом цитологического анализа	ФГБНУ ФНЦО, Московская обл.	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
257	Канунникова	Виктория	Ускоренное выращивание (Speed Breeding) сои	ФГБНУ «Всероссийский научно-исследовательский институт сельскохозяйственной биотехнологии», Москва	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
258	Карлов	Вячеслав	CRISPR/Cas9-опосредованный нокаут генов SteIF4E-1 и SteIF4E-2 картофеля <i>S. tuberosum</i> и его роль в развитии инфекции PVY	Всероссийский научно-исследовательский институт сельскохозяйственной биотехнологии, Москва	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
259	Ковтуненко	Виктор	50 лет селекции тритикале в национальном центре зерна имени П.П. Лукьяненко	ФГБНУ «Национальный центр зерна им. П.П. Лукьяненко», Краснодар	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
260	Колесникова	Елена	Биотехнология сохранения коллекции <i>Beta vulgaris L. in vitro</i>	ООО "СоюзСемСвекла", пос. ВНИИСС, Рамонский район, Воронежская область	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
261	Колесова	Алла	Получение трансгенных растений кукурузы с генетическими конструкциями CRISPR/Cas для индукции мутаций в гене <i>ameiotic</i>	Федеральный аграрный научный центр Юго-Востока г. Саратов	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
262	Конькова	Эльмира	Скрининг перспективных сортов мягкой пшеницы по устойчивости к возбудителям пятнистостей	ФГБНУ "Федеральный аграрный научный центр Юго-Востока", Саратов	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений

263	Коробкова	Варвара	Оценка аллельного состояния гена Cwi-4A в коллекции твердой пшеницы методом KASP- анализа.	ФГБНУ ВНИИСБ, Москва	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
264	Короткова	Анна	Разработка генетической модели для исследования влияния полифенолоксидазы на качественные характеристики зерна ячменя (<i>Hordeum vulgare</i> L.)	ИЦИГ СО РАН, Новосибирск	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
265	Костенко	Виктория	Изучение сортового генофонда яровой пшеницы Республики Татарстан по генетическим маркерам устойчивости к желтой ржавчине	Казанский федеральный университет, Казань	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
266	Кручинина	Юлия	Видоспецифические признаки и скороспелость пшениц: анализ наследования и генетический контроль	Федеральный исследовательский центр Институт цитологии и генетики СО РАН, Новосибирск, Россия	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
267	Кузнецова	Ксения	Меристемные регуляторы в развитии запасающего корня у редиса посевного (<i>Raphanus sativus</i> L.)	Санкт-Петербургский государственный университет, кафедра генетики и биотехнологии, Санкт- Петербург	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
268	Кулакова	Анастасия	Профиль экспрессии генов биосинтеза антоцианов в клубнях сортов картофеля <i>Solanum tuberosum</i> , контрастных по окраске клубней	ФИЦ Биотехнологии РАН, Москва	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
269	Куликович	Елена	Отдаленная гибридизация овса как метод интродукции генетического материала диких и культурных видов в геном <i>A. sativa</i>	РУП "НПЦ НАН Беларуси по земледелию"	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
270	Лебедев	Вадим	Изменение транскриптомного профиля контрастных генотипов дуба черешчатого под влиянием засухи	Филиал Института биоорганической химии имени акад. М.М. Шемякина и Ю.А. Овчинникова РАН, Пушкино, Россия	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
271	Лебедева	Марина	Агроинфильтрация картофеля: насильно мил (не)будешь.	Всероссийский Научно-Исследовательский Институт Сельскохозяйственной Биотехнологии, Москва	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
272	Лящева	Светлана	Зимостойкость и продуктивность линий озимого ячменя в ФГБНУ «ФАНЦ Юго-Востока»	ФГБНУ «ФАНЦ Юго-Востока», г. Саратов	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
273	Мавлютова	Лидия	Генетическая природа диплоидных растений, развивающихся из выполненных зерновок в разноплоидных скрещиваниях (2n × 4n) у линий и гибридов кукурузы, способных к партеногенезу	ФГБНУ "ФАНЦ Юго-Востока"	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
274	Мальчиков	Петр	Эволюция урожайности, устойчивости к стрессам и качества зерна, яровой твердой пшеницы в процессе селекции в Самарском НИИСХ.	Самарский ФИЦ РАН, Самарский НИИСХ им. Н. М. Тулайкова, Россия, ФИЦ Институт цитологии и генетики Сибирского отделения РАН, Новосибирск, Россия	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
275	Мирошниченко	Дмитрий	Редактирование генома тритикале с использованием технологии CRISPR/Cas9	Всероссийский научно-исследовательский институт сельскохозяйственной биотехнологии, Москва	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений

276	Мирская	Галина	Реакция генотипов мягкой пшеницы разных групп спелости на инокуляцию <i>Paenibacillus nicotianae</i> AFI2	ФГБНУ Агрофизический институт, г. Санкт-Петербург	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
277	Михайлова	Александра	Аллельный скрининг контрастных по окраске корнеплода образцов свеклы столовой из коллекции ВИР	Федеральный исследовательский центр Всероссийский институт генетических ресурсов растений имени Н.И. Вавилова	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
278	Мохов	Тимофей	Разработка молекулярных маркеров на гены NLP 3 у <i>Triticum aestivum</i>	ФГБНУ «Всероссийский научно-исследовательский институт сельскохозяйственной биотехнологии» (ФГБНУ ВНИИСБ)	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
279	Мыскова	Анна	Изучение функций транскрипционных факторов NLP у картофеля и анализ их взаимодействия с регуляторами клубнеобразования	Санкт-Петербургский государственный университет	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
280	Никитина	Вера	Результаты селекции яровой тритикале в Красноярском крае	Красноярский государственный аграрный университет	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
281	Оглы	Андрей	Реализация селекционных программ, обеспечивающих формирование высокоурожайных агроценозов риса	ФГБНУ «ФНЦ риса»	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
282	Орбант	Мария	Идентификация и структурно-функциональный анализ гена-кандидата из локуса Ant27, контролирующего синтез проантоцианидинов в зерне ячменя (<i>Hordeum vulgare</i> L.)	Новосибирский национальный исследовательский государственный университет, Новосибирск 2Институт цитологии и генетики СО РАН, Новосибирск	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
283	Орина	Александра	Pathogenicity of <i>Fusarium</i> fungi to potato cultivars	All-Russian Institute of Plant Protection (VIZR)	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
284	Орловская	Ольга	Состав высокомолекулярных субъединиц глютелина и качество клейковины у линий пшеницы с чужеродным генетическим материалом	Институт генетики и цитологии НАН Беларуси	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
285	Крупин	Павел	Разработка набора SSR- маркеров для генетической паспортизации ячменя.	Федеральное государственное бюджетное научное учреждение «Всероссийский научно-исследовательский институт сельскохозяйственной биотехнологии», Москва	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
286	Павлова	Дарья	Роль различных доменов MtWOX9-1 в стимуляции соматического эмбриогенеза у <i>Medicago truncatula</i>	СПбГУ, Санкт-Петербург	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
287	Пигалов	Антон	Влияния грибов рода <i>Fusarium</i> на урожайность и качество пшеницы и тритикале и возможности использования рнк-интерференции и малых рнк в борьбе с грибными заболеваниями	Московский государственный университет имени М.В. Ломоносова (МГУ), Москва	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
288	Пономарева	Мира	Генетические и селекционные аспекты повышения устойчивости озимых культур к низкотемпературным патогенам	ТатНИИСХ ФИЦ КазНЦ РАН	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений

289	Попов	Геннадий	Цитоплазматическая мужская стерильность у яблони и груши	ФГБНУ ФНЦ им. Мичурина И.В., Мичуринск	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
290	Поротников	Игорь	<i>In silico</i> анализ локуса SKr, ассоциированного со скрещиваемостью мягкой пшеницы с рожью	Федеральное государственное бюджетное научное учреждение «Федеральный исследовательский центр Всероссийский институт генетических ресурсов растений имени Н.И. Вавилова» (ВИР)	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
291	Пороховинова	Елизавета	Генетическая коллекция ВИР – источник биологического разнообразия льна	Всероссийский институт генетических ресурсов растений им. Н.И. Вавилова (ВИР), Санкт-Петербург	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
292	Потоцкая	Инна	Генотипирование коллекции озимой мягкой пшеницы с использованием KASP- маркеров в условиях Западной Сибири	Омский государственный аграрный университет имени П.А. Столыпина, г. Омск	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
293	Радзенице	Светлана	Опыты по ускоренному прохождению яровизации у озимых злаков	ФГБНУ ВНИИСБ г. Москва	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
294	Ражина	Полина	Агробактериальная трансформация растений <i>Camelina sativa</i> (L.)	Федеральное государственное бюджетное научное учреждение «Всероссийский научно-исследовательский институт сельскохозяйственной биотехнологии», Москва	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
295	Ражина	Оксана	Поиск генов TALE в коллекции изолятов <i>Xanthomonas campestris</i> pv. <i>campestris</i>	Всероссийский научно-исследовательский институт сельскохозяйственной биотехнологии, Москва	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
296	Рогозина/Rogozina	Елена/Elena	Традиционные и современные подходы в создании исходного материала для актуальных направлений селекции картофеля	Федеральный исследовательский центр Всероссийский институт генетических ресурсов растений имени Н.И. Вавилова (ВИР), Санкт-Петербург	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
297	Родионов	Константин	Изучение коллекции картофеля ВИР на устойчивость к бактериальным заболеваниям	Федеральный исследовательский центр Всероссийский институт генетических ресурсов растений имени Н. И. Вавилова, Санкт-Петербург	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
298	Розенцвет	Ольга	Фенотипирование растений картофеля с помощью морфо-физиологических инструментов	Самарский федеральный исследовательский центр РАН, Институт экологии Волжского бассейна РАН, Тольятти, Россия.	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
299	Романов	Дмитрий	Разработка методов получения корневых меристем на ветвях и приготовления препаратов хромосом цитрусов.	Федеральное государственное бюджетное научное учреждение «Всероссийский научно-исследовательский институт сельскохозяйственной биотехнологии», Лаборатория прикладной геномики и частной селекции сельскохозяйственных растений, Москва	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
300	Руденко	Татьяна	Разработка технологии молекулярно-генетической идентификации и паспортизации гибридов сахарной свёклы с использованием микросателлитных маркеров	ФГБНУ «Всероссийский НИИ сахарной свёклы и сахара им. А.Л. Мазлумова»	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений

301	Саонов	Фёдор	Генетическая коллекция <i>Ribes nigrum</i> L. ФНЦ Садоводства и использование её в селекции	Федеральное государственное бюджетное научное учреждение «Федеральный научный селекционно-технологический центр садоводства и питомниководства»	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
302	Саматадзе	Татьяна	Оценка цитогенетической стабильности колхицин индуцированных форм синюхи голубой (<i>Polemonium caeruleum</i> L.)	Институт молекулярной биологии им. В.А. Энгельгардта РАН	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
303	Свистунова	Наталья	Возможности применения ускоренного выращивания (Speed Breeding) для подсолнечника	ФГБНУ «Всероссийский научно-исследовательский институт сельскохозяйственной биотехнологии», Москва	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
304	Симагин	Александр	Наследование генов гибридного некроза в популяции F2 льна-долгунца	ФГБОУ ВО РГАУ МСХА имени К.А. Тимирязева, г. Москва	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
305	Смирнов	Кирилл	Изучение роли генов семейства <i>WOX</i> в соматическом эмбриогенезе у <i>Medicago truncatula</i>	Всероссийский научно-исследовательский институт сельскохозяйственной микробиологии, Пушкин	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
306	Смирнова	Наталья	Использование методов GWAS и геномной селекции для изучения коллекционного и селекционного материала озимой ржи	Федеральный исследовательский центр Всероссийский институт генетических ресурсов растений имени Н.И. Вавилова	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
307	Соболев	Кирилл	Характеристика образцов <i>Triticum petropavlovskyi</i> Udacz. et Migusch. по хозяйственно-ценным признакам и получение гибридных форм <i>T. petropavlovskyi</i> Udacz. Et Migusch. × <i>T. aestivum</i> L. с окрашенным зерном и высокой массой 1000 зерен	ИЦиГ СО РАН, Новосибирск	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
308	Суворова	Галина	Новые сорта чечевицы, созданные методом межвидовой гибридизации	Федеральное государственное бюджетное научное учреждение «Федеральный научный центр зернобобовых и крупяных культур»	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
309	Ткаченко	Оксана	Влияние ризосферных бактерий на относительную экспрессию антистрессовых генов картофеля	ФГБОУ ВО Вавиловский университет, г. Саратов	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
310	Тырышкин	Лев	Молекулярные маркеры в идентификации генов устойчивости растений к болезням	Всероссийский Институт Генетических Ресурсов Растений	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
311	Федорова	Ольга	Влияние наночастиц оксида меди на некоторые показатели роста растений березы в культуре <i>in vitro</i>	ФГБОУ ВО Воронежский государственный лесотехнический университет имени Г.Ф. Морозова, Воронеж	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
312	Филюшин	Михаил	Профили коэкспрессии генов рециклинга витамина с коррелируют с содержанием аскорбата в листьях лука-пороя	ФИЦ Биотехнологии РАН, Москва	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
313	Цветкова	Наталья	Разнообразие автофертильных линий ржи <i>Secale cereale</i> L. по ювенильной устойчивости к грибным болезням	Санкт-Петербургский государственный университет, Санкт-Петербург	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений

314	Чумакова	Вера	Направления селекции ежи сборной в условиях центрального Предкавказья	ФГБНУ "Северо-Кавказский федеральный научный аграрный центр"	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
315	Чуманова	Евгения	Характеристика яровых линий мягкой пшеницы с черной окраской зерна с целью их использования в селекции сортов пшеницы с повышенным содержанием антоцианов	ФГБНУ Федеральный исследовательский центр Институт цитологии и генетики СО РАН, Новосибирск	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
316	Эйгес	Наталья	Репароген модификатор пара-аминобензойная кислота (ПАБК)	Институт биохимической физики им. Н.М. Эмануэля (ИБХФ) РАН	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
317	Юркевич	Ольга	Изучение репитома <i>H. alpinum</i> и FISH-картирование маркерных сателлитных ДНК на хромосомах видов рода <i>Hedysarum</i>	Институт молекулярной биологии им. В.А. Энгельгардта РАН, Москва, Россия.	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
318	Юркина	Анна	Цитогенетическое исследование <i>Thinopyrum caespitosum</i>	ФГБНУ ВНИИСБ	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
319	Михайлова	Елена	Генетические ресурсы популяций чилима <i>Trapa</i> sp. на территории России	Институт биохимии и генетики УФИЦ РАН, Уфа, Россия	Симпозиум 10. Селекция и биотехнология растений
320	Кладова	Ольга	Изменение активности ДНК-полимеразы β человека вследствие возникновения природных однонуклеотидных мутаций	Институт химической биологии и фундаментальной медицины Сибирского Отделения Российской Академии Наук, 630090, Новосибирск, проспект академика Лаврентьева 8	Симпозиум 11. Мутации, рекомбинация, репарация
321	Рощектаева	Виктория	Локализация белка RecN <i>E. coli</i> в процессе SOS-ответа, вызванного одиночным разрывом ДНК	Санкт-Петербургский политехнический университет Петра Великого (СПбПУ)	Симпозиум 11. Мутации, рекомбинация, репарация
322	Сергеев	Евгений	Цитогенетические механизмы гибридной стерильности у самцов гибридов F1 между <i>Mus musculus wagneri</i> и <i>M. spicilegus</i> в связи с проблемами таксономии формы <i>wagneri</i>	ИПЭЭ Москва	Симпозиум 11. Мутации, рекомбинация, репарация
323	Янчик	Дарья	Характеризация методом оптического захвата стабильности нуклеосом, реконструированных с использованием 601 и 603 высокоафинных последовательностей Видома	Санкт-Петербургский государственный университет, Санкт-Петербург, Россия	Симпозиум 11. Мутации, рекомбинация, репарация
324	Ахтемова	Гульнар	Методика выращивания гороха посевного (<i>Pisum sativum</i> L.) в стерильных условиях	ФГБНУ ВНИИ сельскохозяйственной микробиологии, Санкт-Петербург- Пушкин, Россия	Симпозиум 12. Генетика надорганизменных систем
325	Ерофеева	Наталья	Характеристика первичного метаболома азотфиксирующих клубеньков растений сорта Triumph и его родительских сортов Classic и Vendevil	Санкт-Петербургский Государственный Университет, Кафедра Физиологии и Биохимии Растений, Санкт-Петербург, Россия	Симпозиум 12. Генетика надорганизменных систем
326	Киричек	Евгений	Филогенетическое положение штаммов <i>Rhizobium laguerreae</i> AMPS в пределах комплекса видов <i>Rhizobium leguminosarum</i>	Всероссийский научно-исследовательский институт сельскохозяйственной микробиологии, Санкт-Петербург, Россия	Симпозиум 12. Генетика надорганизменных систем

327	Клюкова	Марина	Анализ способности штамма <i>TOM Rhizobium leguminosarum</i> к образованию клубеньков в полевых условиях с использованием тест-системы на основе последовательности гена podX	Федеральное государственное бюджетное научное учреждение Всероссийский научно-исследовательский институт сельскохозяйственной микробиологии (ФГБНУ ВНИИСХМ), Санкт-Петербург	Симпозиум 12. Генетика надорганизменных систем
328	Низамутдинов	Тимур	Микробиом пахотных, залежных и природных дерново-подзолистых краснопрофильных почв Ленинградской области	Санкт-Петербургский государственный университет, Санкт-Петербург	Симпозиум 12. Генетика надорганизменных систем
329	Павлова	Ольга	Генетический контроль бактериальной системы секреции VI типа у штаммов <i>Rhizobium leguminosarum</i> bv. <i>viciae</i>	ФГБНУ ВНИИСХМ, лаборатория сигнальной регуляции, Санкт-Петербург	Симпозиум 12. Генетика надорганизменных систем
330	Ракова	Валерия	Геномный и транскриптомный анализ признака симбиотической отзывчивости у гороха посевного (<i>Pisum sativum</i> L.)	Университет «Сириус», Сириус, Россия	Симпозиум 12. Генетика надорганизменных систем
331	Рубцова	Дарья	Исследование генов TOO MUCH LOVE в развитии клубеньков у люцерны	Санкт-Петербургский государственный университет	Симпозиум 12. Генетика надорганизменных систем
332	Polkhovskiy	Alexander	<i>Arabidopsis thaliana</i> dGAG gene silencing leads to severe plant morphological abnormalities	МIPT, Moscow	Симпозиум 13. Направленное изменение генетической информации
333	Ахмаров	Ильяс	Моделирование неонатальной эпилепсии человека на мышах с нокаутом гена KCNA1	Центр трансгеноза и редактирования генома СПбГУ, Санкт-Петербург	Симпозиум 13. Направленное изменение генетической информации
334	Виролайнен	Павел	Роль факторов транскрипции семейства GATA в регуляции метаболизма одноклеточной зелёной водоросли <i>Chlamydomonas reinhardtii</i>	Санкт-Петербургский государственный университет, Санкт-Петербург	Симпозиум 13. Направленное изменение генетической информации
335	Каржаев	Дмитрий	CRISPR-Cas нокаут гена LEAFY для получения стерильных клонов у осины	ФБУ СПбНИИЛХ	Симпозиум 13. Направленное изменение генетической информации
336	Кириллов	Олег	Создание системы для тканеспецифичной экспрессии сенсора напряжения positron у трансгенных мышей	Центр трансгеноза и редактирования генома СПбГУ, Санкт-Петербург	Симпозиум 13. Направленное изменение генетической информации
337	Константинов	Захар	Поиск и редактирование генов-ингибиторов соматического эмбриогенеза у <i>Medicago truncatula</i>	НТУ «Сириус», Сочи	Симпозиум 13. Направленное изменение генетической информации
338	Куршакова	Елизавета	Восстановление рамки считывания при мутациях в экзонах 11-12 гена дистрофина	Медико-генетический научный центр имени академика Н.П. Бочкова	Симпозиум 13. Направленное изменение генетической информации
339	Нагиева	Сабина	Оценка эффективности редактирования направляющих РНК для разработки метода пропуска экзонов 43-55 в гене DMD	Медико-генетический научный центр имени академика Н.П.Бочкова, Москва	Симпозиум 13. Направленное изменение генетической информации

340	Полховская	Екатерина	Анализ аллельного разнообразия генов яровой пшеницы с помощью технологии ONT Amplicon-Seq	ФГБНУ ВНИИСБ, Москва	Симпозиум 13. Направленное изменение генетической информации
341	Чиринская	Ангелина	Новый PAM повышает специфичность нуклеазы LbCas12a в условиях <i>in vitro</i>	Центр трансгенеза и редактирования генома, Санкт-Петербургский государственный университет	Симпозиум 13. Направленное изменение генетической информации
342	Шумега	Андрей	Изучение мутагенной активности CRISPR/Cas9 в дрожжевой модели	Санкт-Петербургский государственный университет	Симпозиум 13. Направленное изменение генетической информации
343	Галкина	Светлана	Дополнительная хромосома клеток половой линии у зebровой амадины: особенности организации	Санкт-Петербургский государственный университет, г. Санкт-Петербург	Симпозиум 14. Дифференцировка и стволовые клетки
344	Гринчук	Татьяна	Кариотипические особенности эндометриальных мезенхимных клеток десквамированного эндометрия <i>in vitro</i>	Институт цитологии РАН, Санкт-Петербург	Симпозиум 14. Дифференцировка и стволовые клетки
345	Белова	Маргарита	Оценка вариабельности гена OsKAI2d у заразики кумской	АНО ВО «Сириус», Сириус	Симпозиум 15. Проблемы селекции растений следующего поколения
346	Кочешкова	Алина	Использование методов цифрового фенотипирования для детекции проявления аллельного состояния TaNGR5-1B у мягкой пшеницы	ФГБНУ «Всероссийский научно-исследовательский институт сельскохозяйственной биотехнологии», Москва	Симпозиум 15. Проблемы селекции растений следующего поколения
347	Горбачева	Елена	Экспрессия генов, кодирующих цитоскелетные белки, в очагах эндометриоза различной локализации	ГНЦ РФ Институт медико-биологических проблем РАН, Москва	Симпозиум 16. Регуляция действия гена и эпигенетика
348	Иванова	Екатерина	Ген swiss cheese <i>Drosophila melanogaster</i> и его роль в репродуктивной системе самцов	НИЦ «Курчатовский институт» - ПИЯФ, Гатчина	Симпозиум 16. Регуляция действия гена и эпигенетика
349	Коваль	Любовь	Влияние разных типов сверхэкспрессии генов репарации ДНК на показатели продолжительности жизни и стрессоустойчивости <i>Drosophila melanogaster</i>	Институт биологии Коми научного центра Уральского отделения Российской академии наук (ИБ ФИЦ Коми НЦ УрО РАН)	Симпозиум 16. Регуляция действия гена и эпигенетика
350	Кудрявцева	Анна	Специфичность антирестриктаз ArdA к ДНК-связывающим белкам	МФТИ, Долгопрудный	Симпозиум 16. Регуляция действия гена и эпигенетика
351	Лавренова	Анна	Изучение генетических сетей, задействованных в ответ на витамин К и варфарин у <i>Drosophila melanogaster</i>	Московский государственный университет имени М.В. Ломоносова, Москва	Симпозиум 16. Регуляция действия гена и эпигенетика
352	Манукян	Галя	Исследование влияния проходящей транскрипции на связывание архитектурных белков с инсульторами из Vithogaх комплекса дрозофилы	ФГБУН Институт биологии гена РАН, Москва	Симпозиум 16. Регуляция действия гена и эпигенетика
353	Сайфитдинова	Алсу	Характеристика повторяющихся элементов из геномов птиц	Российский государственный педагогический университет им.А.И.Герцена	Симпозиум 16. Регуляция действия гена и эпигенетика

354	Уткина	Анна	Специфичность антирестрикционного белка ArdB	Москва	Симпозиум 16. Регуляция действия гена и эпигенетика
355	Цой	Екатерина	Система флуоресцентных сенсоров для исследования стрессового ответа микоплазм	ФБУН НИИ системной биологии и медицины Роспотребнадзора, Москва	Симпозиум 16. Регуляция действия гена и эпигенетика
356	Шарангович	Максим	Регуляция пектинолиза у <i>Pectobacterium versatile</i>	Белорусский государственный университет, Минск	Симпозиум 16. Регуляция действия гена и эпигенетика
357	Антонов	Алексей	Молекулярная характеристика сортов вики посевной (<i>Vicia sativa</i> L.) на основе белковых, SSR- и SRAP-маркеров	Федеральное государственное бюджетное научное учреждение «Федеральный научный центр кормопроизводства и агроэкологии имени В.Р. Вильямса»	Симпозиум 17. Популяционная генетика
358	Бега	Анна	Идентификация комаров рода <i>Anopheles</i> Черноморского побережья Кавказа молекулярно-генетическими и цитогенетическими методами	Государственный университет просвещения, Мытищи	Симпозиум 17. Популяционная генетика
359	Белоус	Анна	Изучение генетической архитектуры в агро- и аквахозяйстве	ФГБНУ ФИЦ ВИЖ им. Л.К. Эрнста	Симпозиум 17. Популяционная генетика
360	Бисултанова	Зура	Использование RAPD- маркеров в исследовании полиморфизма горных популяций Одуванчика лекарственного (<i>Taraxacum officinale</i> Wigg.)	ФГБОУ ВО "Чеченский государственный университет им. А.А. Кадырова"	Симпозиум 17. Популяционная генетика
361	Вагайцева	Ксения	Сравнение уровня идентификационной информативности двух аутомных тест-систем при определении сложных случаев родства в популяциях коренных народов Российской Федерации	Научно-исследовательский институт медицинской генетики Федерального государственного бюджетного научного учреждения «Томский национальный исследовательский медицинский центр Российской академии наук»	Симпозиум 17. Популяционная генетика
362	Гордеев	Михаил	Хромосомный полиморфизм периферийных популяций малярийных комаров и расширение границ видовых ареалов на территории Карелии	Государственный университет просвещения_Мытищи	Симпозиум 17. Популяционная генетика
363	Грачева	Алеся	Особенности генетико- демографических процессов в населении Москвы и Санкт-Петербурга	Федеральное государственное бюджетное учреждение науки Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова Российской академии наук, Москва	Симпозиум 17. Популяционная генетика
364	Зарецкая	Марина	Влияние циркадного стресса у растений <i>Arabidopsis thaliana</i> на экспрессию CCA1 – одного из ключевых генов циркадной сети	Институт биологии Карельского научного центра Российской академии наук, Петрозаводск, 185910 Россия	Симпозиум 17. Популяционная генетика
365	Имекина	Дарья	Межпоколенная трансформация популяционно-генетической структуры татар Сибири: изонимный подход	ФГБОУ ВО «Кемеровский государственный медицинский университет» Министерства здравоохранения Российской Федерации, Кемерово	Симпозиум 17. Популяционная генетика
366	Каскинова	Миляуша	Гаплотипы локуса tRNA ^{leu} - COII мтДНК в популяциях <i>Apis mellifera</i> на территории России	Институт биохимии и генетики – обособленное структурное подразделение Федерального государственного бюджетного научного учреждения Уфимского федерального исследовательского центра Российской академии наук	Симпозиум 17. Популяционная генетика

367	Кессених	Андрей	Разорванный ареал криптического вида теребеллид: связь между Белым и Северным морями	МФТИ, Долгопрудный	Симпозиум 17. Популяционная генетика
368	Максимова	Анастасия	Определение частоты гетерозиготного носительства наследственной моторно- сенсорной нейропатии 6С типа в якутской популяции	Научно-исследовательская лаборатория "Молекулярная медицина и генетика человека" МИ СВФУ им. М.К. Аммосова, Якутск	Симпозиум 17. Популяционная генетика
369	Москаев	Антон	Генетическая структура популяций криптических видов малярийных комаров Полесья и сопредельных территорий	Государственный университет просвещения, Мытищи	Симпозиум 17. Популяционная генетика
370	Небесихина	Наталья	Анализ генетического разнообразия азовской севрюги (<i>Acipenser stellatus</i>) в условиях ее низкой численности популяции	Азово-Черноморский филиал ФГБНУ "ВНИРО", г. Ростов- на-Дону	Симпозиум 17. Популяционная генетика
371	Новгородова	Сайына	Возраст мутации мукополисахаридоз- плюс синдрома в Республике Саха (Якутия)	ФГАОУ ВО "Северо- Восточный Федеральный университет им. М.К.Аммосова"	Симпозиум 17. Популяционная генетика
372	Падюкова	Асия	Барабинско-туражские сибирские татары: особенности генофонда по данным изучения Y-хромосомы	ФГБОУ ВО Кемеровский Государственный Медицинский Университет Минздрава России, Кемерово	Симпозиум 17. Популяционная генетика
373	Пархоменко	Алена	Генетический полиморфизм популяций <i>Chondrilla</i> Европейской России и прилегающих территорий в связи с особенностями системы семенного размножения	ФГБОУ ВО «Саратовский национальный исследовательский государственный университет имени Н.Г. Чернышевского», г. Саратов	Симпозиум 17. Популяционная генетика
374	Полякова	Татьяна	Молекулярные подходы к идентификации видов и гибридов <i>Spiraea</i> (Rosaceae) на популяционном уровне.	Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова РАН, Москва	Симпозиум 17. Популяционная генетика
375	Разумова	Ольга	Цитогеография Марей Европейской части России.	ФГБНУ ВНИИСБ, г. Москва	Симпозиум 17. Популяционная генетика
376	Романов	Денис	Нетипично высокий уровень полиморфизма митохондриальной ДНК в популяциях наездника <i>Aprostocetus neglectus</i> (Hymenoptera: Eulophidae)	Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова РАН	Симпозиум 17. Популяционная генетика
377	Солошенкова	Элина	Использование методов машинного обучения в идентификации породной принадлежности лошадей	Институт общей генетики им.Н.И. Вавилова РАН	Симпозиум 17. Популяционная генетика
378	Щербакова	Виктория	Спасти русского осетра. Природный полиморфизм и генетический мониторинг искусственного воспроизводства вида	Всероссийский научно-исследовательский институт рыбного хозяйства и океанографии, Россия, Москва	Симпозиум 17. Популяционная генетика
379	Андреев	Юрий	Уровень экспрессии гена shaggy, кодирующего высококонсервативную протеинкиназу GSK3, в жировой ткани влияет на ее свойства и выживание <i>D. melanogaster</i>	НИЦ «Курчатовский институт», Москва	Симпозиум 19. Генетика старения, поведения и нейрогенетика

380	Бобков	Ярослав	Геропротекторные свойства растительного экстракта <i>P. grandiflora</i> на модели кинурениновых мутантов дрозофилы	Казанский федеральный университет, Казань	Симпозиум 19. Генетика старения, поведения и нейрогенетика
381	Гончарова	Анна	Генетический контроль геотаксиса у <i>Drosophila melanogaster</i>	ФГБУН Институт физиологии им. И. П. Павлова РАН, Санкт-Петербург	Симпозиум 19. Генетика старения, поведения и нейрогенетика
382	Заломасва	Екатерина	Участие гена <i>limk1</i> в обучении и забывании у дрозофилы	Российский государственный педагогический университет им. А.И. Герцена	Симпозиум 19. Генетика старения, поведения и нейрогенетика
383	Зачепило	Татьяна	Экспрессия <i>creb</i> и <i>ap-1</i> при формировании памяти у медоносной пчелы	Институт физиологии им.И.П. Павлова РАН	Симпозиум 19. Генетика старения, поведения и нейрогенетика
384	Левина	Анна	Долгосрочная динамика патологических изменений в поведении у крыс двух линий, селективированных по порогу возбудимости нервной системы, в ответ на хронический стресс	ФГБУН Институт физиологии им. И.П. Павлова РАН	Симпозиум 19. Генетика старения, поведения и нейрогенетика
385	Муралёва	Наталья	Изменение активности сигнальных путей MAPK с возрастом как общий механизм патогенеза нейродегенеративных заболеваний	Федеральный исследовательский центр Институт цитологии и генетики Сибирского отделения Российской академии наук (ИЦиГ СО РАН)	Симпозиум 19. Генетика старения, поведения и нейрогенетика
386	Рябова	Елена	Роль гена <i>sws/PNPLA6</i> <i>Drosophila melanogaster</i> в поддержании гомеостаза нейронов и глиальных клеток	НИЦ "Курчатовский институт" - ПИЯФ, Гатчина	Симпозиум 19. Генетика старения, поведения и нейрогенетика
387	Столбунова	Вероника	Скорость замен в COX1 мтДНК, размер тела и поведение плотвы <i>Rutilus rutilus</i> (L.), леща <i>Abramis brama</i> (L.) и их реципрокных гибридов	Институт биологии внутренних вод им. И.Д. Папанина РАН	Симпозиум 19. Генетика старения, поведения и нейрогенетика
388	Яковлева	Диана	Репликативный анализ ассоциаций генетических локусов с манифестацией агрессивного поведения	Институт биохимии и генетики –обособленное структурное подразделение Федерального государственного бюджетного научного учреждения Уфимского федерального исследовательского центра Российской академии наук, Уфа, Россия	Симпозиум 19. Генетика старения, поведения и нейрогенетика
389	Абдурашитов	Сулейман	Влияние обработки семян биопрепаратами и внесения фосфорного удобрения на таксономическую структуру ризосферы <i>Coriandrum sativum</i> в различные фенофазы.	ФГБУН "Научно- исследовательский институт сельского хозяйства Крыма"	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
390	Анисимова	Лилия	Оценка субстратной активности бактериальных изолятов промышленных экотопов г. Уфы по отношению к имазапиру	Научно-исследовательский технологический институт гербицидов и регуляторов роста растений с опытно-экспериментальным производством АН РБ, Уфа, Россия	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
391	Баженов	Сергей	Применение регуляторных элементов lux-регулона психрофильных морских бактерий	ФГАОУ ВО «Московский физико-технический институт (национальный исследовательский университет)», г. Долгопрудный	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов

392	Бегматов	Шахжахон	Метагеномный анализ микробиоты кишечника сельскохозяйственных животных России	Институт биоинженерии ФИЦ Биотехнологии РАН, Москва	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
393	Гладков	Григорий	Поиск предикторов биологической активности целлюлозолитических сообществ в их метагеномах	Всероссийский научно-исследовательский институт сельскохозяйственной микробиологии, Санкт-Петербург, Пушкин	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
394	Гончарова	Мария	Сравнение эффективности штаммов дрожжей <i>Komagataella phaffii</i> как продуцентов рекомбинантных белков	Санкт-Петербургский государственный университет, Санкт-Петербург	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
395	Горбунова	Мария	Разнообразие и биологические свойства ризобифагов	ФГБНУ ВНИИСХМ, Санкт-Петербург	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
396	Графская	Екатерина	Разработка модифицированных антимикробных пептидов путем нерационального дизайна	ФГБУ ФНКЦ ФХМ им. Ю.М. Лопухина ФМБА России, Москва	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
397	Доморацкая	Дана	Поиск микроорганизмов - потенциальных антагонистов возбудителя бурой гнили картофеля	ФГБОУ ВО РГАУ – МСХА имени К. А. Тимирязева	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
398	Журавлева	Ольга	Биогенные металлсодержащие наночастицы с антимикробными свойствами как компоненты полимерных нанокомпозитов	НИЦ «Курчатовский институт», ККНБИКСПТ, Москва	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
399	Иштуганова	Валерия	Влияние дефицита фосфата на экспрессию генов в клетках дрожжей <i>Komagataella phaffii</i>	Санкт-Петербургский государственный университет, Россия, 199034, Санкт-Петербург, Университетская наб. 7/9	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
400	Кадников	Виталий	Метагеномный анализ микробного сообщества грязевого вулкана Керченского полуострова	Институт биоинженерии им. К.Г. Скрябина, ФИЦ Биотехнологии РАН	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
401	Карлов	Денис	Применение метода лазерной инженерии микробных систем для выделения эндофитных микроорганизмов из клубеньков арктических дикорастущих бобовых растений	ФГБНУ Всероссийский НИИ сельскохозяйственной микробиологии, Санкт-Петербург	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
402	Каюмов	Айрат	Новые пробиотические штаммы лактобактерий из ферментированного силоса	ФГАОУ ВО "Казанский (Приволжский) федеральный университет", г. Казань	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
403	Кимеклис	Анастасия	Сукцессия в микробном ассоциативном консорциуме БАГС	ФГБНУ ВНИИСХМ, Санкт-Петербург	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
404	Петриков	Кирилл	Филогенетический анализ алкан монооксигеназ AlkB-типа бактерий рода <i>Rhodococcus</i>	ИБФМ им. Г.К. Скрябина РАН — обособленное подразделение ФИЦ ПНЦБИ РАН, Московская область, г. Пушкино	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов

405	Крючкова	Елена	Геномный анализ как инструмент реконструкции бактериального метаболизма на примере <i>Achromobacter insolitus</i> LCu2	Институт биохимии и физиологии растений и микроорганизмов-Федерального исследовательского центра «Саратовский научный центр Российской академии наук»	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
406	Макеева	Анастасия	Влияние азотного голодания на экспрессию генов в дрожжах <i>Komagataella phaffii</i>	Санкт-Петербургский государственный университет, Санкт-Петербург	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
407	Манухов	Илья	Противоопухолевый препарат на основе химерного белка L- метионин-γ-лиазы и S3 домена вирусного ростового фактора.	МФТИ, Долгопрудный	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
408	Марданов	Андрей	Характеристика штаммов дрожжей, используемых в отечественном виноделии, с помощью молекулярных методов	Институт биоинженерии, ФИЦ Биотехнологии РАН, г. Москва	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
409	Новиков	Андрей	Набор промоторов для настраиваемой супер-продукции ферментов в бактериях <i>Rhodococcus</i>	НИЦ «Курчатовский институт» Курчатовский геномный центр, Москва	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
410	Падкина	Марина	Ответ клеток дрожжей <i>Saccharomyces cerevisiae</i> на синтез аптамеров РНК	Санкт-Петербургский государственный университет, Санкт-Петербург	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
411	Резникова	Диана	Поиск новых постбиотиков с использованием омиксных технологий для применения в аквакультуре	Институт Общей Генетики им. Н.И. Вавилова РАН, Московский физико-технический институт	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
412	Романенко	Мария	Геномный анализ новых хозяйственно-ценных изолятов группы <i>Bacillus</i> , выделенных из различных географических регионов	ФГБНУ ВНИИ сельскохозяйственной микробиологии, Санкт-Петербург	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
413	Румянцев	Андрей	Путь метаболизма метанола у дрожжей как модель для изучения эволюции регуляторных систем	Санкт-Петербургский государственный университет, Санкт-Петербург	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
414	Сидорин	Антон	Изучение влияния пролина на экспрессию генов метилотрофных дрожжей <i>Komagataella phaffii</i>	Санкт-Петербургский государственный университет, Россия, 199034, Санкт-Петербург	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
415	Сидорова	Дарья	Микробные летучие органические соединения: биологическая активность и специфичность бактериального ответа на их действие	ФГБУ КК НБИКС-ПТ НИЦ "Курчатовский институт", Москва	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
416	Степанова	Агнесса	Исследование регуляции транспорта аминокислот с разветвленным радикалом через цитоплазматическую мембрану <i>Escherichia coli</i> K-12	НИЦ "Курчатовский институт", Москва	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
417	Сыромятников	Михаил	Высокопроизводительное секвенирование как универсальный инструмент оценки качества микробных биопрепаратов	ФГБОУ ВО «Воронежский государственный университет инженерных технологий», Воронеж	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов

418	Тарасов	Иван	Влияние различных источников углерода на продукцию кантаксантина генномодифицированным штаммом дрожжей <i>Yarrowia lipolytica</i> ВКПМ- У-5210	Биоресурсный центр - всероссийской коллекции промышленных микроорганизмов (ВКПМ), отдел ресурсных центров Курчатова комплекса НБИКС-природоподобных технологий НИЦ «Курчатowski институт», Москва	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
419	Токмакова	Ирина	Улучшение экспрессии генов в <i>Corynebacterium glutamicum</i> с помощью 3' - нетранслируемого фрагмента ДНК	НИЦ «Курчатowski институт», Москва	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
420	Туаева	Альбина	Генетический полиморфизм молочных дрожжей <i>Debaryomyces hansenii</i>	Федеральное государственное бюджетное учреждение Национальный исследовательский центр «Курчатowski институт», Москва	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
421	Худяева	Маргарита	Эндоситные бактерий засухоустойчивых растений – антагонисты фитопатогенных грибов и бактерий	ФГБНУ «Всероссийский научно-исследовательский институт сельскохозяйственной микробиологии» (г. Санкт-Петербург - Пушкин, Россия)	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов
422	Черенкова	Анна	Рибосомные промоторы <i>Yarrowia lipolytica</i> : сравнительный анализ и перспективы применения	Российский химико- технологический университет им. Д.И. Менделеева, Национальный исследовательский центр «Курчатowski институт», Москва	Симпозиум 20. Селекция и биотехнология микроорганизмов